日本国符許庁

11.11.99

PATENT OFFICE
JAPANESE GOVERNMENT

5899/8L03

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出願年月日 Date of Application:

1999年 4月14日

REC'D 0 6 JAN 2000

WIPO PCT

出 願 番 号 Application Number:

平成11年特許願第106812号

武田薬品工業株式会社

## PRIORITY DOCUMENT

SUBMITTED OR TRANSMITTED IN COMPLIANCE WITH RULE 17.1(a) OR (b)

1999年12月17日

特許庁長官 Commissioner, Patent Office 近 藤 隆



#### 特平11-106812

【書類名】

· ř.

特許願

【整理番号】

A99072

【提出日】

平成11年 4月14日

【あて先】

特許庁長官

殿

【国際特許分類】

C07K 07/00

C12N 15/12

【発明の名称】

新規タンパク質およびそのDNA

【請求項の数】

25

【発明者】

【住所又は居所】

茨城県つくば市春日1丁目7番地9 武田春日ハイツ1

402号

【氏名】

日沼 州司

【発明者】

【住所又は居所】

茨城県つくば市並木3丁目17番地6 ロイヤルシティ

並木302号

【氏名】

福住 昌司

【特許出願人】

【識別番号】

000002934

【氏名又は名称】

武田薬品工業株式会社

【代理人】

【識別番号】

100073955

【弁理士】

【氏名又は名称】

朝日奈 忠夫

【選任した代理人】

【識別番号】

100110456

【弁理士】

【氏名又は名称】 内山 務

【先の出願に基づく優先権主張】

【出願番号】

平成11年特許願第 60030号

【出願日】

平成11年 3月 8日

【整理番号】

A99040

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 005142

【納付金額】

21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】

明細書 1

【物件名】

図面 1

【物件名】 要約書 1

【包括委任状番号】 9000053

【包括委任状番号】 9721047

【プルーフの要否】 要

## 【書類名】明細書

【発明の名称】新規タンパク質およびそのDNA

## 【特許請求の範囲】

【請求項1】配列番号:1で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするタンパク質またはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩。

【請求項2】実質的に同一のアミノ酸配列が配列番号:8、配列番号:14または配列番号:18で表されるアミノ酸配列である請求項1記載のタンパク質。

【請求項3】請求項1記載のタンパク質の部分ペプチドまたはそのアミドもしく はそのエステルまたはそれらの塩。

【請求項4】配列番号:1の第81番目(Met)ないし第92番目(Phe)のアミノ酸残基を含有してなる請求項3記載の部分ペプチドまたはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩。

【請求項5】配列番号:1の第101番目(Ser)ないし第112番目(Ser)の アミノ酸残基を含有してなる請求項3記載の部分ペプチドまたはそのアミドもし くはそのエステルまたはそれらの塩。

【請求項 6】配列番号:1の第124番目(Val)ないし第131番目(Phe)の アミノ酸残基を含有してなる請求項3記載の部分ペプチドまたはそのアミドもし くはそのエステルまたはそれらの塩。

【請求項7】請求項1記載のタンパク質の部分ペプチドのアミドまたはその塩。

【請求項8】請求項1記載のタンパク質をコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA。

【請求項9】配列番号:2、配列番号:9、配列番号:15または配列番号:1 9で表される塩基配列を有する請求項8記載のDNA。

【請求項10】請求項3記載の部分ペプチドをコードするDNAを含有するDNA。

【請求項11】配列番号:2で表される塩基配列の第241番目ないし第276番目の塩基を含有してなる請求項10記載のDNA。

【請求項12】配列番号:2で表される塩基配列の第301番目ないし第336番目の塩基を含有してなる請求項10記載のDNA。

【請求項13】配列番号:2で表される塩基配列の第370番目ないし第393 番目の塩基を含有してなる請求項10記載のDNA。

【請求項14】請求項8または請求項10記載のDNAを含有する組換えベクタ ー

【請求項15】請求項14記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体。

【請求項16】請求項15記載の形質転換体を培養し、請求項1記載のタンパク質または請求項3記載の部分ペプチドを生成せしめることを特徴とする請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の製造法。

【請求項17】請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたは それらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩に対する抗体。

【請求項18】請求項8または請求項10記載のDNAまたは請求項17記載の 抗体を含有してなる診断剤。

【請求項19】請求項8または請求項10記載のDNAに相補的または実質的に相補的な塩基配列を有し、該DNAの発現を抑制し得る作用を有するアンチセンスDNA。

【請求項20】請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたは それらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩を含有してなる剤。

【請求項21】請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたは それらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩を含有してなる医薬

【請求項22】請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩を用いることを特徴とする請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法。

【請求項23】請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩を含有してなる請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット。

【請求項24】請求項22記載のスクリーニング方法または請求項23記載のスクリーニング用キットを用いて得られる請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩。

【請求項25】請求項22記載のスクリーニング方法または請求項23記載のスクリーニング用キットを用いて得られる請求項1記載のタンパク質、請求項3記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬。

## 【発明の詳細な説明】

[0001]

## 【発明の属する技術分野】

本発明は新規タンパク質(本明細書においては、新規生理活性ポリペプチドと称する場合もある。)、その部分ペプチドおよびそれらをコードするDNAなどに関する。特に、RFamide様構造を有することを特徴とする新規タンパク質およびその部分ペプチドなどに関する。

[0002]

## 【従来の技術】

ペプチドは代謝、成長、生殖、恒常性維持、精神活動、生体防御など生体の機能を調節するための分子として重要な役割を担っている。これらのペプチドは細胞膜上の特異的な受容体に結合することによりその情報を細胞に伝える。これまでこのような生理活性ペプチドの多くは、その生理活性に基づいて組織抽出物等から単離されその構造が決定されてきた。また最近では受容体を利用して組織抽出物等から生理活性ペプチドを単離することもなされるようになってきた。

一方、最近のゲノムやcDNAの配列解析の急速な進展により、膨大なDNA情報が

入手可能になった。これらのDNAの中にはこれまで未知であった生理活性ペプチドをコードするものが含まれているものと推定される。しかし生理活性ペプチドは非常に短いアミノ酸配列しか持たないものが多く、ゲノムDNA配列やExpressed Sequence Tag (EST)から、既知の生理活性ペプチドのと一部類似した配列あるいは共通のモチーフを有する未知の生理活性ペプチドを探そうとしても、類似した配列は生理活性ペプチドとは全く無関係な蛋白の遺伝子や非翻訳領域のDNA配列中にも頻繁に見出されるため、それらの中からどれが本当の生理活性ペプチドであるかどうかを確定することは非常に困難であった。

生理活性ペプチドの1種であるFMRFamideは二枚貝のビノスワスガレイの神経節より初めて単離、構造決定されたペプチドである (Price D.A. & Greenberg, M.J., Science、197,670-671,1977)。その後、C末端にRFamide構造を持つペプチドやそれに類似の構造を持つペプチドが無脊椎動物で多くの種に広く分布することが分かってきた。特にセンチュウにおいては多くのRFamide構造を有するペプチドが存在していることが報告されており、しかもそれらの多くは一つの遺伝子上に複数個が連続して乗っていることが知られている (Nelson, L. S., et al., Molecular Brain Research 58, 103-111, 1998)。

一方、脊椎動物においてRFamide構造を有するFMRFamide様のペプチドとしては、鶏の脳からLPLRFamideが単離同定されているが、その遺伝子構造は未だに明らかにされていない(Dockray, G.J. et al., Nature, 305, 328-330, 1983)。また魚類では最近RFamide構造を有するペプチドとしてC-RFaが報告されている。哺乳動物におけるRFamide構造を有するペプチドとしてはウシから精製単離された2種のペプチド(Yang, H.-Y. T., et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 82, 7757-7761, 1985)とそれに対応すると考えられるヒトcDNAから同定されたneuropeptide SF(NSF)およびneuropeptide AF(NAF)がある。また最近我々はRFamide構造を有するヒト、ウシ、ラットProlactin-releasing peptide (PrRP) (Hinuma, S., et al., Nature, 393, 272-276, 1998)を同定している。

FMRFamideペプチドの生理活性に関してはさまざまな報告がある。例えばFMRFamideの作用としては、心臓はくどうの促進や抑制、各種歯舌筋や内臓筋、各種牽引筋の収縮や弛緩、さらには神経細胞の過分極や脱分極等が知られている。また

PrRPに関してはプロラクチン放出促進活性が、またLPLRFamideに関しても神経細胞の刺激効果や、血圧上昇作用等が報告されている。

以上のようにRFamide構造を持つペプチドに関しては多くの重要な生理作用が 報告されている。しかしNSF、NAF、PrRP以外に哺乳動物で知られているRFamide あるいはそれに類似する構造を有するペプチドが存在するかどうかは全く知られ ていない。

[0003]

## 【発明が解決しようとする課題】

そこで、未知のRFamide様構造を持つタンパク質(ペプチド)を見出し、それ を利用した新たな生理活性物質を含有してなる疾患の予防・治療・診断剤の開発 が望まれていた。

[0004]

## 【課題を解決するための手段】

本発明者らは、上記の課題を解決するために鋭意研究を重ねた結果、EST等の配列情報を基にプライマーを作製し、ヒト胎児脳poly(A)<sup>+</sup>RNAを鋳型とするRT-PCRにより、新規な塩基配列を有するcDNAをクローニングすることに成功した。そして、本発明者らは、得られたcDNAにコードされるタンパク質が有用なC末端がLPL RF amide様、LPL RS amide様、LPQ RF amide様またはLPLRLamide様のペプチドであることを見出し、これらの知見に基づいて、さらに検討を重ねた結果、本発明を完成するに至った。

[0005]

すなわち、本発明は、

- (1)配列番号:1で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするタンパク質またはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩、
- (2) 実質的に同一のアミノ酸配列が配列番号:8、配列番号:14または配列番号:18で表されるアミノ酸配列である上記(1)記載のタンパク質、
- (3)上記(1)記載のタンパク質の部分ペプチドまたはそのアミドもしくはそ のエステルまたはそれらの塩、

- (4)配列番号:1の第81番目(Met)ないし第92番目(Phe)のアミノ酸残基を含有してなる上記(3)記載の部分ペプチドまたはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩、
- (5)配列番号:1の第101番目(Ser)ないし第112番目(Ser)のアミノ酸残基を含有してなる上記(3)記載の部分ペプチドまたはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩、
- (6)配列番号:1の第124番目(Val)ないし第131番目(Phe)のアミノ酸残基を含有してなる上記(3)記載の部分ペプチドまたはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩、
  - (7)上記(1)記載のタンパク質の部分ペプチドのアミドまたはその塩、
- (8)上記(1)記載のタンパク質をコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、
- (9) 配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15または配列番号: 19で表 される塩基配列を有する上記(8)記載のDNA、
- (10)上記(3)記載の部分ペプチドをコードするDNAを含有するDNA、
- (11)配列番号:2で表される塩基配列の第241番目ないし第276番目の 塩基を含有してなる上記(10)記載のDNA、
- (12)配列番号:2で表される塩基配列の第301番目ないし第336番目の塩基を含有してなる上記(10)記載のDNA、
- (13)配列番号:2で表される塩基配列の第370番目ないし第393番目の 塩基を含有してなる上記(10)記載のDNA、
- (14) 上記 (8) または上記 (10) 記載のDNAを含有する組換えベクター
- (15)上記(14)記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体、
- (16)上記(15)記載の形質転換体を培養し、上記(1)記載のタンパク質または上記(3)記載の部分ペプチドを生成せしめることを特徴とする上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の製造法、
  - (17)上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそ

- れらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩に対する抗体、
- (18)上記(8)または上記(10)記載のDNAまたは上記(17)記載の 抗体を含有してなる診断剤、
- (19)上記(8)または上記(10)記載のDNAに相補的または実質的に相補的な塩基配列を有し、該DNAの発現を抑制し得る作用を有するアンチセンスDNA、
- (20)上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩を含有してなる剤、
- (21)上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩を含有してなる医薬、
- (22)上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩を用いることを特徴とする上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法、
- (23)上記(1)記載のタンパク質、上記(2)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩を含有してなる上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット、
- (24)上記(22)記載のスクリーニング方法または上記(23)記載のスクリーニング用キットを用いて得られる上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩、および
- (25)上記(22)記載のスクリーニング方法または上記(23)記載のスクリーニング用キットを用いて得られる上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬などに関する。

[0006]

さらには、本発明は、

- (26)配列番号:1で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、配列番号:1で表されるアミノ酸配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、さらに好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列である上記(1)記載のタンパク質またはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩、
- (27)配列番号:1で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、①配列番号:1で表されるアミノ酸配列中の1~20個(好ましくは1~15個、さらに好ましくは1~5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号:1で表されるアミノ酸配列に1~20個(好ましくは1~15個、さらに好ましくは1~5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、③配列番号:1で表されるアミノ酸配列中の1~20個以上(好ましくは1~15個、さらに好ましくは1~5個以上、より好ましくは、1~3個以上)のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または④それらを組み合わせたアミノ酸配列である上記(1)記載のタンパク質またはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩、
  - (28)上記(8)または(10)記載のDNAをコードする塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、
  - (29)上記(28)記載のDNAを含有する組換えベクター、
  - (30)上記(29)記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体、
  - (31)上記(30)記載の形質転換体を培養し、上記(28)記載のDNAに コードされるタンパク質を生成し、蓄積せしめ、これを採取することを特徴とす る上記(28)記載のDNAでコードされるタンパク質またはその塩の製造法、
  - (32)上記(31)記載の製造法で製造される、上記(28)記載のDNAで コードされるタンパク質またはその塩、

[0007]

(33) (i) 上記(1) 記載のタンパク質、上記(3) 記載の部分ペプチドま

たはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩にその受容体を接触させた場合と、(ii)上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩にその受容体および試験化合物を接触させた場合における、上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を測定し、比較することを特徴とする上記(22)記載のスクリーニング方法、

(34)上記(22)記載のスクリーニング方法または上記(23)記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を促進する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(35)上記(22)記載のスクリーニング方法または上記(23)記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の活性を阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

[0008]

(36)上記(17)記載の抗体と、被検液および標識化された上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の割合を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の定量法、および

(37)被検液と担体上に不溶化した上記(17)記載の抗体および標識化され

た上記(17)記載の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のタンパク質、上記(3)記載の部分ペプチドまたはそれらのアミドもしくはそれらのエステルまたはそれらの塩の定量法などを提供する。

[0009]

### 【発明の実施の形態】

本発明の配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一 のアミノ酸配列を有するタンパク質(以下、本発明のタンパク質と称する)は、 ヒトや温血動物(例えば、モルモット、ラット、マウス、ニワトリ、ウサギ、ブ タ、ヒツジ、ウシ、サルなど)の細胞(例えば、網膜細胞、肝細胞、脾細胞、神 経細胞、グリア細胞、膵臓β細胞、骨髄細胞、メサンギウム細胞、ランゲルハン ス細胞、表皮細胞、上皮細胞、内皮細胞、繊維芽細胞、繊維細胞、筋細胞、脂肪 細胞、免疫細胞(例、マクロファージ、T細胞、B細胞、ナチュラルキラー細胞 、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球)、巨核球、滑膜細胞、軟骨細胞 、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝細胞もしくは間質細胞、またはこ れら細胞の前駆細胞、幹細胞もしくは癌細胞など)もしくはそれらの細胞が存在 するあらゆる組織、例えば、脳、脳の各部位(例、網膜、嗅球、扁桃核、大脳基 底球、海馬、視床、視床下部、大脳皮質、延髄、小脳)、脊髄、下垂体、胃、膵 臓、腎臓、肝臓、生殖腺、甲状腺、胆のう、骨髄、副腎、皮膚、筋肉、肺、消化 管(例、大腸、小腸)、血管、心臓、胸腺、脾臓、顎下腺、末梢血、前立腺、睾 丸、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、骨格筋など、または血球系の細胞もしくはそ の培養細胞 (例えば、MEL, M1, CTLL-2, HT-2, WEHI-3, HL-60, JOSK-1, K562, ML-1, MOLT-3, MOLT-4 , MOLT-10, CCRF-CEM, TALL-1, Jurkat, CCRT -HSB-2, KE-37, SKW-3, HUT-78, HUT-102, H9 , U937, THP-1, HEL, JK-1, CMK, KO-812, MEG-01など)に由来するタンパク質であってもよく、合成タンパク質であってもよ 11

[0010]

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、さらに好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などがあげられる。

特に、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列 としては、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第22~180番目のアミ ノ酸配列を有するアミノ酸配列などがあげられる。

本発明の配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有するタンパク質としては、例えば、前記の配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列(例えば、配列番号:8、配列番号:14または配列番号:18で表されるアミノ酸配列など)を有し、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列など)を有し、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質と実質的に同質の活性を有するタンパク質などが好ましい。

実質的に同質の活性としては、例えば、本発明のタンパク質の受容体を発現する細胞に添加することにより発現する細胞刺激活性(以下単に細胞刺激活性とする)、例えばアラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca<sup>2+</sup>遊離、細胞内CAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質の燐酸化、C-fosの活性化、細胞外pHの変動などがあげられる。

実質的に同質とは、それらの活性が性質的に(例、生理化学的に、または薬理学的に)同質であることを示す。従って、細胞刺激活性などの活性が同等(例、約0.  $1\sim100$ 倍、好ましくは約0.  $5\sim10$ 倍、より好ましくは0.  $5\sim2$ 倍)であることが好ましいが、これらの活性の程度、タンパク質の分子量などの量的要素は異なっていてもよい。

細胞刺激活性などの測定は、自体公知の方法に準じて行なうことができるが、 例えば、後述するスクリーニング方法に従って測定することができる。

[0011]

また、本発明のタンパク質としては、例えば、①配列番号:1 で表わされるアミノ酸配列中の $1\sim20$ 個(好ましくは、 $1\sim10$ 個、さらに好ましくは、 $1\sim$ 

5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号:1で表わされるアミノ酸配列に1~20個(好ましくは、1~10個、さらに好ましくは、1~5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、③配列番号:1で表わされるアミノ酸配列に1~20個(好ましくは、1~10個、さらに好ましくは、1~5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が挿入されたアミノ酸配列、④配列番号:1で表わされるアミノ酸配列中の1~20個(好ましくは、1~10個、さらに好ましくは、1~5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または⑤それらを組み合わせたアミノ酸配列を含有するタンパク質などのいわゆるムテインも含まれる。

上記のようにアミノ酸配列が挿入、欠失または置換されている場合、その挿入 、欠失または置換の位置としては、特に限定されない。

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するタンパク質の具体例としては、例えば、配列番号:8で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するタンパク質、配列番号:14で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するタンパク質、配列番号:18で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するタンパク質、配列番号:18で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するタンパク質などがあげられる。

## [0012]

本明細書におけるタンパク質は、ペプチド標記の慣例に従って左端がN末端(アミノ末端)、右端がC末端(カルボキシル末端)である。配列番号:1で表わされるアミノ酸配列を含有するタンパク質をはじめとする、本発明のタンパク質は、C末端が通常カルボキシル基(-COOH)またはカルボキシレート(-COOT)であるが、C末端がアミド( $-CONH_2$ )またはエステル(-COOR)であってもよい。

ここでエステルにおけるRとしては、例えば、メチル、エチル、n-プロピル、イソプロピルもしくはn-ブチルなどの $C_{1-6}$ アルキル基、例えば、シクロペンチル、シクロヘキシルなどの $C_{3-8}$ シクロアルキル基、例えば、フェニル、 $\alpha$ -ナフチルなどの $C_{6-12}$ アリール基、例えば、ベンジル、フェネチルなどのフェ

ニルー $C_{1-2}$ アルキル基もしくは $\alpha$ ーナフチルメチルなどの $\alpha$ ーナフチルー $C_{1-2}$ アルキル基などの $C_{7-14}$ アラルキル基のほか、経口用エステルとして汎用されるピバロイルオキシメチル基などが用いられる。

本発明のタンパク質がC末端以外にカルボキシル基(またはカルボキシレート)を有している場合、カルボキシル基がアミド化またはエステル化されているものも本発明のタンパク質に含まれる。この場合のエステルとしては、例えば上記したC末端のエステルなどが用いられる。

さらに、本発明のタンパク質には、N末端のアミノ酸残基(例、メチオニン残基)のアミノ基が保護基(例えば、ホルミル基、アセチル基などの $C_{1-6}$ アルカノイルなどの $C_{1-6}$ アシル基など)で保護されているもの、生体内で切断されて生成するN末端のグルタミン残基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基(例えば-OH、-SH、アミノ基、イミダゾール基、インドール基、グアニジノ基など)が適当な保護基(例えば、ホルミル基、アセチル基などの $C_{1-6}$ アルカノイル基などの $C_{1-6}$ アシル基など)で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖タンパク質などの複合タンパク質なども含まれる。

本発明のタンパク質の具体例としては、例えば、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列を有するヒト由来のタンパク質(図1)、配列番号:8で表わされるアミノ酸配列を有するヒト由来のタンパク質(図3)、配列番号:14で表わされるアミノ酸配列を有するウシ由来のタンパク質(図4)、配列番号:18で表わされるアミノ酸配列を有するラット由来のタンパク質(図5)などが用いられる。

また、本発明のタンパク質は下記の部分ペプチド等の前駆体であってもよく、 この場合には、必ずしも下記の部分ペプチド等の有する活性(例、細胞刺激活性 など)を有する必要はない。

[0013]

本発明のタンパク質の部分ペプチドとしては、前記した本発明のタンパク質の部分ペプチドであって、好ましくは、細胞刺激活性(以下単に細胞刺激活性とする)、例えばアラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca<sup>2+</sup>遊離、細胞内

cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質の燐酸化、C-fosの活性化、細胞外pHの変動などを有するものであればいかなるものでもよい。

本発明のタンパク質の部分ペプチドとして好ましくは、RFamide、RSamide またはRLamide構造を有するペプチドが好ましい。

R Famide構造とは、ペプチドのC末端がArginine(アルギニン)-Phenylalani ne(フェニルアラニン)-NH<sub>2</sub>構造になっていることをいい、R Samide構造とは、ペプチドのC末端がArginine(アルギニン)-Serine(セリン)-NH<sub>2</sub>構造になっていることをいい、R Lamide構造とは、ペプチドのC末端がArginine(アルギニン)-Leucine(ロイシン)-NH<sub>2</sub>構造になっていることを意味する。

これらペプチドの中でも、例えば、配列番号: 1で表わされるアミノ酸配列の第第81番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第101番目 (Ser) ~112番目 (Ser)、第124番目 (Val) ~131番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~112番目 (Ser) または第1番目 (Met) ~131番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチドなどが用いられる (特にこれらのペプチドのアミド体が好ましい)。

また、本発明の部分ペプチドは、そのアミノ酸配列中の $1\sim5$ 個(好ましくは、 $1\sim3$ 個のアミノ酸が欠失し、または、そのアミノ酸配列に $1\sim5$ 個(好ましくは、 $1\sim3$ 個)のアミノ酸が付加し、または、そのアミノ酸配列に $1\sim5$ 個(好ましくは、 $1\sim3$ 個のアミノ酸が挿入され、または、そのアミノ酸配列中の $1\sim5$ 個(好ましくは、 $1\sim3$ 個のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されていてもよい。

## [0014]

また、本発明の部分ペプチドはC末端が通常カルボキシル基(-COOH)またはカルボキシレート( $-COO^-$ )であるが、前記した本発明のタンパク質のごとく、C末端がアミド( $-CONH_2$ )またはエステル(-COOR)(Rは上記と同意義を示す)であってもよい。

さらに、本発明の部分ペプチドには、前記した本発明のタンパク質と同様に、 N末端のアミノ酸残基(例、メチオニン残基)のアミノ基が保護基で保護されて いるもの、N端側が生体内で切断され生成したグルタミン残基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基が適当な保護基で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖ペプチドなどの複合ペプチドなども含まれる。

また、本発明の部分ペプチドは抗体作成のための抗原として用いることができるので、必ずしも細胞刺激活性などを有する必要はない。

### [0015]

本発明のタンパク質または部分ペプチドの塩としては、生理学的に許容される酸(例、無機酸、有機酸)や塩基(例、アルカリ金属塩)などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。このような塩としては、例えば、無機酸(例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸)との塩、あるいは有機酸(例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蓚酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸)との塩などが用いられる。

本発明のタンパク質またはその塩は、前述したヒトや温血動物の細胞または組織から自体公知のタンパク質の精製方法によって製造することもできるし、後述するタンパク質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによっても製造することができる。また、後述のペプチド合成法に準じて製造することもできる。

ヒトや哺乳動物の組織または細胞から製造する場合、ヒトや哺乳動物の組織または細胞をホモジナイズした後、酸などで抽出を行ない、該抽出液を逆相クロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィーなどのクロマトグラフィーを組み合わせることにより精製単離することができる。

#### [0016]

本発明のタンパク質、部分ペプチド、もしくはそれらの塩、またはそれらのアミド体の合成には、通常市販のタンパク質合成用樹脂を用いることができる。そのような樹脂としては、例えば、クロロメチル樹脂、ヒドロキシメチル樹脂、ベンズヒドリルアミン樹脂、アミノメチル樹脂、4ーベンジルオキシベンジルアルコール樹脂、4ーメチルベンズヒドリルアミン樹脂、PAM樹脂、4ーヒドロキ

シメチルメチルフェニルアセトアミドメチル樹脂、ポリアクリルアミド樹脂、4 - (2',4'-ジメトキシフェニルーヒドロキシメチル)フェノキシ樹脂、4 - (2',4'-ジメトキシフェニルーFmocアミノエチル)フェノキシ樹脂などをあげることができる。このような樹脂を用い、αーアミノ基と側鎖官能基を適当に保護したアミノ酸を、目的とするタンパク質の配列通りに、自体公知の各種縮合方法に従い、樹脂上で縮合させる。反応の最後に樹脂からタンパク質を切り出すと同時に各種保護基を除去し、さらに高希釈溶液中で分子内ジスルフィド結合形成反応を実施し、目的のタンパク質またはそれらのアミド体を取得する。

上記した保護アミノ酸の縮合に関しては、タンパク質合成に使用できる各種活性化試薬を用いることができるが、特に、カルボジイミド類がよい。カルボジイミド類としては、DCC、N,N'-ジイソプロピルカルボジイミド、N-エチル-N'-(3-ジメチルアミノプロリル)カルボジイミドなどが用いられる。これらによる活性化にはラセミ化抑制添加剤(例えば、HOBt, HOOBt)とともに保護アミノ酸を直接樹脂に添加するかまたは、対称酸無水物またはHOBtエステルあるいはHOOBtエステルとしてあらかじめ保護アミノ酸の活性化を行なった後に樹脂に添加することができる。

#### [0017]

保護アミノ酸の活性化や樹脂との縮合に用いられる溶媒としては、タンパク質縮合反応に使用しうることが知られている溶媒から適宜選択されうる。例えば、N,Nージメチルホルムアミド,N,Nージメチルアセトアミド,Nーメチルピロリドンなどの酸アミド類、塩化メチレン,クロロホルムなどのハロゲン化炭化水素類、トリフルオロエタノールなどのアルコール類、ジメチルスルホキシドなどのスルホキシド類、ピリジン,ジオキサン,テトラヒドロフランなどのエーテル類、アセトニトリル,プロピオニトリルなどのニトリル類、酢酸メチル,酢酸エチルなどのエステル類あるいはこれらの適宜の混合物などが用いられる。反応温度はタンパク質結合形成反応に使用され得ることが知られている範囲から適宜選択され、通常約-20℃~50℃の範囲から適宜選択される。活性化されたアミノ酸誘導体は通常1.5~4倍過剰で用いられる。ニンヒドリン反応を用いたテストの結果、縮合が不十分な場合には保護基の脱離を行なうことなく縮合反応

を繰り返すことにより十分な縮合を行なうことができる。反応を繰り返しても十分な縮合が得られないときには、無水酢酸またはアセチルイミダゾールを用いて 未反応アミノ酸をアセチル化することによって、後の反応に影響を与えないよう にすることができる。

#### [0018]

原料のアミノ基の保護基としては、例えば、Z、Boc、t-ペンチルオキシカルボニル、イソボルニルオキシカルボニル、<math>4-メトキシベンジルオキシカルボニル、C1-Z、Br-Z、Pダマンチルオキシカルボニル、トリフルオロアセチル、フタロイル、ホルミル、2-ニトロフェニルスルフェニル、ジフェニルホスフィノチオイル、Fmocなどが用いられる。

カルボキシル基は、例えば、アルキルエステル化(例えば、メチル、エチル、プロピル、ブチル、tーブチル、シクロペンチル、シクロヘキシル、シクロヘプチル、シクロオクチル、2ーアダマンチルなどの直鎖状、分枝状もしくは環状アルキルエステル化)、アラルキルエステル化(例えば、ベンジルエステル、4ーニーロベンジルエステル、4ーメートロベンジルエステル、4ークロロベンジルエステル、ベンズヒドリルエステル化)、フェナシルエステル化、ベンジルオキシカルボニルヒドラジド化、tーブトキシカルボニルヒドラジド化、トリチルヒドラジド化などによって保護することができる。

セリンの水酸基は、例えば、エステル化またはエーテル化によって保護することができる。このエステル化に適する基としては、例えば、アセチル基などの低級( $C_{1-6}$ アルカノイル基、ベンゾイル基などのアロイル基、ベンジルオキシカルボニル基、エトキシカルボニル基などの炭酸から誘導される基などが用いられる。また、エーテル化に適する基としては、例えば、ベンジル基、テトラヒドロピラニル基、t-ブチル基などである。

チロシンのフェノール性水酸基の保護基としては、例えば、Bzl、Cl<sub>2</sub>-Bzl、2 -ニトロベンジル、Br-Z、tーブチルなどが用いられる。

ヒスチジンのイミダゾールの保護基としては、例えば、Tos、4-メトキシ-2,3,6-トリメチルベンゼンスルホニル、DNP、ベンジルオキシメチル、Bum、B c、Tr t、Fmocなどが用いられる。

### [0019]

原料のカルボキシル基の活性化されたものとしては、例えば、対応する酸無水物、アジド、活性エステル [アルコール (例えば、ペンタクロロフェノール、2,4,5-トリクロロフェノール、2,4-ジニトロフェノール、シアノメチルアルコール、パラニトロフェノール、HONB、N-ヒドロキシスクシミド、N-ヒドロキシフタルイミド、HOBt) とのエステル] などが用いられる。原料のアミノ基の活性化されたものとしては、例えば、対応するリン酸アミドが用いられる。

保護基の除去(脱離)方法としては、例えば、Pdー黒あるいはPd-炭素などの触媒の存在下での水素気流中での接触還元や、また、無水フッ化水素、メタンスルホン酸、トリフルオロ酢酸あるいはこれらの混合液などによる酸処理や、ジイソプロピルエチルアミン、トリエチルアミン、ピペリジン、ピペラジンなどによる塩基処理、また液体アンモニア中ナトリウムによる還元なども用いられる。上記酸処理による脱離反応は、一般に約−20℃~40℃の温度で行なわれるが、酸処理においては、例えば、アニソール、フェノール、チオアニソール、メタクレゾール、パラクレゾール、ジメチルスルフィド、1,4-ブタンジチオール、1,2-エタンジチオールなどのようなカチオン捕捉剤の添加が有効である。また、ヒスチジンのイミダゾール保護基として用いられる2,4-ジニトロフェニル基はチオフェノール処理により除去され、トリプトファンのインドール保護基として用いられるホルミル基は上記の1,2-エタンジチオール、1,4-ブタンジチオールなどの存在下の酸処理による脱保護以外に、希水酸化ナトリウム溶液、希アンモニアなどによるアルカリ処理によっても除去される

## [0020]

原料の反応に関与すべきでない官能基の保護ならびに保護基、およびその保護 基の脱離、反応に関与する官能基の活性化などは公知の基または公知の手段から 適宜選択しうる。

タンパク質のアミド体を得る別の方法としては、例えば、まず、カルボキシ末端アミノ酸のα-カルボキシル基をアミド化して保護した後、アミノ基側にペプチド(タンパク質) 鎖を所望の鎖長まで延ばした後、該ペプチド鎖のN末端のα

ーアミノ基の保護基のみを除いたタンパク質とC末端のカルボキシル基の保護基のみを除去したタンパク質とを製造し、この両タンパク質を上記したような混合溶媒中で縮合させる。縮合反応の詳細については上記と同様である。縮合により得られた保護タンパク質を精製した後、上記方法によりすべての保護基を除去し、所望の粗タンパク質を得ることができる。この粗タンパク質は既知の各種精製手段を駆使して精製し、主要画分を凍結乾燥することで所望のタンパク質のアミド体を得ることができる。

タンパク質のエステル体を得るには、例えば、カルボキシ末端アミノ酸のαーカルボキシル基を所望のアルコール類と縮合しアミノ酸エステルとした後、タンパク質のアミド体と同様にして、所望のタンパク質のエステル体を得ることができる。

#### [0021]

本発明の部分ペプチドまたはその塩は、自体公知のペプチドの合成法に従って、あるいは本発明のタンパク質を適当なペプチダーゼで切断することによって製造することができる。ペプチドの合成法としては、例えば、固相合成法、液相合成法のいずれによっても良い。すなわち、本発明の部分ペプチドを構成し得る部分ペプチドもしくはアミノ酸と残余部分とを縮合させ、生成物が保護基を有する場合は保護基を脱離することにより目的のペプチドを製造することができる。公知の縮合方法や保護基の脱離としては、例えば、以下の①~⑤に記載された方法があげられる。

- ①M. Bodanszky および M.A. Ondetti、ペプチド・シンセシス (Peptide Synthesis), Interscience Publishers, New York (1966年)
- ②SchroederおよびLuebke、ザ・ペプチド(The Peptide), Academic Press, New York (1965年)
- ③泉屋信夫他、ペプチド合成の基礎と実験、丸善(株) (1975年)
- ④矢島治明 および榊原俊平、生化学実験講座 1、 タンパク質の化学IV、205、(1977年)
- ⑤矢島治明監修、続医薬品の開発、第14巻、ペプチド合成、広川書店 また、反応後は通常の精製法、例えば、溶媒抽出・蒸留・カラムクロマトグラ

フィー・液体クロマトグラフィー・再結晶などを組み合わせて本発明の部分ペプチドを精製単離することができる。上記方法で得られる部分ペプチドまたはシグナルペプチドが遊離体である場合は、公知の方法あるいはそれに準じる方法によって適当な塩に変換することができるし、逆に塩で得られた場合は、公知の方法あるいはそれに準じる方法によって遊離体または他の塩に変換することができる

#### [0022]

本発明のタンパク質をコードするDNAとしては、前述した本発明のタンパク質をコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。

ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、前記した細胞・組織よりtotalRNAまたはmRNA画分を調製したものを用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction (以下、RT-PCR法と略称する)によって増幅することもできる。

本発明のタンパク質をコードするDNAとしては、例えば、①配列番号:2、配列番号:9、配列番号:15または配列番号19で表わされる塩基配列を含有するDNA、または配列番号:2、配列番号:9、配列番号:15または配列番号19で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のタンパク質と実質的に同質の活性(例、細胞刺激活性など)を有するタンパク質をコードするDNA、②配列番号:2、配列番号:9、配列番号:15または配列番号19で表わされる塩基配列を含有するDNA、または配列番号:2、配列番号:9、配列番号:15または配列番号19で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のタンパク質と実質的に同質の活性(例、細胞刺激活性など)を有するタンパク質をコードするDNAなどであれば何れのものでもよい。

[0023]

配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15または配列番号19で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、それぞれ配列番号: 2で表わされる塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、さらに好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

ハイブリダイゼーションは、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning) 2nd (J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989) に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。より好ましくは、ハイストリンジェントな条件に従って行なうことができる。

ハイストリンジェントな条件とは、例えば、ナトリウム濃度が約 $19\sim40$  m M、好ましくは約 $19\sim20$  mMで、温度が約 $50\sim70$  C、好ましくは約 $60\sim65$  Cの条件を示す。特に、ナトリウム濃度が約19 mMで温度が約65 Cの 場合が最も好ましい。

より具体的には、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、配列番号:2で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。また、配列番号:8で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、配列番号:9で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられ、配列番号:14で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、配列番号:15で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられ、配列番号:18で表わされるアミノ酸配列を有するDNAなどが用いられる。配列番号:19で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

[0024]

本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、前述した本発明の部分ペプチドをコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来

の c D N A、前記した細胞・組織由来の c D N A ライブラリー、合成 D N A の いずれでもよい。

本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、①配列番号:2、配列番号:9、配列番号:15または配列番号:19で表わされる塩基配列を有するDNAの部分塩基配列を有するDNA、または配列番号:2、配列番号:9、配列番号:15または配列番号:19で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のタンパク質と実質的に同質の活性を有するタンパク質をコードするDNAの部分塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15または配列番号: 19で表わされる塩基配列とハイブリダイズできるDNAは、前記と同意義を示す。

ハイブリダイゼーションの方法およびハイストリンジェントな条件は前記と同様のものが用いられる。

#### [0025]

本発明のタンパク質または部分ペプチド(以下、これらタンパク質等をコードするDNAのクローニングおよび発現の説明においては、これらタンパク質等を単に本発明のタンパク質と略記する場合がある)を完全にコードするDNAのクローニングの手段としては、本発明のタンパク質の部分塩基配列を有する合成DNAプライマーを用いて自体公知のPCR法によって増幅するか、または適当なベクターに組み込んだDNAを本発明のタンパク質の一部あるいは全領域をコードするDNA断片もしくは合成DNAを用いて標識したものとのハイブリダイゼーションによって選別することができる。ハイブリダイゼーションの方法は、例えば、モレキュラー・クローニング(Molecular Cloning)2nd(J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989)に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。

DNAの塩基配列の変換は、公知のキット、例えば、MutantTM-G(宝酒造(株))、MutantTM-K(宝酒造(株))などを用いて、Gupped duplex法やKunkel法などの自体公知の方法あるいはそれらに準じる方法に従って行なうことができる

クローン化されたタンパク質をコードするDNAは目的によりそのまま、または所望により制限酵素で消化したり、リンカーを付加したりして使用することができる。該DNAはその5、末端側に翻訳開始コドンとしてのATGを有し、また3、末端側には翻訳終止コドンとしてのTAA、TGAまたはTAGを有していてもよい。これらの翻訳開始コドンや翻訳終止コドンは、適当な合成DNAアダプターを用いて付加することもできる。

本発明のタンパク質の発現ベクターは、例えば、(イ)本発明のタンパク質を コードするDNAから目的とするDNA断片を切り出し、(ロ)該DNA断片を 適当な発現ベクター中のプロモーターの下流に連結することにより製造すること ができる。

#### [0026]

ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド(例、pBR322, pBR32 5, pUC12, pUC13)、枯草菌由来のプラスミド(例、pUB110, pTP5, pC194)、酵母由来プラスミド(例、pSH19, pSH15)、  $\lambda$  ファージなどのバクテリオファージ、レトロウイルス,ワクシニアウイルス,バキュロウイルスなどの動物ウイルスなどの他、pA1-11、pXT1、pRc/CMV、pRc/RSV、pcDNAI/Neoなどが用いられる。

本発明で用いられるプロモーターとしては、遺伝子の発現に用いる宿主に対応して適切なプロモーターであればいかなるものでもよい。例えば、動物細胞を宿主として用いる場合は、SRaプロモーター、SV40プロモーター、LTRプロモーター、CMVプロモーター、HSV-TKプロモーターなどがあげられる

これらのうち、CMV(サイトメガロウイルス)プロモーター、SR $\alpha$ プロモーターなどを用いるのが好ましい。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、t r pプロモーター、1 a cプロモーター、r e c Aプロモーター、 $\lambda$  PLプロモーター、1 p pプロモーター、t T 7プロモーターなどが、宿主がバチルス属菌である場合は、SPO1プロモーター、SPO2プロモーター、t p e n Pプロモーターなど、宿主が酵母である場合は、t PHO5プロモーター、t PGKプロモーター

、GAPプロモーター、ADHプロモーターなどが好ましい。宿主が昆虫細胞である場合は、ポリヘドリンプロモーター、P10プロモーターなどが好ましい。

#### [0027]

発現ベクターには、以上の他に、所望によりエンハンサー、スプライシングシグナル、ポリA付加シグナル、選択マーカー、SV40複製オリジン(以下、SV40です。と略称する場合がある)などを含有しているものを用いることができる。選択マーカーとしては、例えば、ジヒドロ葉酸還元酵素(以下、dhfrと略称する場合がある)遺伝子〔メソトレキセート(MTX)耐性〕、アンピシリン耐性遺伝子(以下、Amp「と略称する場合がある)、ネオマイシン耐性遺伝子(以下、Neo「と略称する場合がある、G418耐性)等があげられる。特に、dhfr遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞を用いてdhfr遺伝子を選択マーカーとして使用する場合、目的遺伝子をチミジンを含まない培地によっても選択できる。

また、必要に応じて、宿主に合ったシグナル配列を、本発明のタンパク質のN端末側に付加する。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、Pho A・シグナル配列、Omp A・シグナル配列などが、宿主がバチルス属菌である場合は、 $\alpha$  ーアミラーゼ・シグナル配列、サブチリシン・シグナル配列などが、宿主が酵母である場合は、MF $\alpha$ ・シグナル配列、SUC2・シグナル配列など、宿主が動物細胞である場合には、インシュリン・シグナル配列、 $\alpha$  ーインターフェロン・シグナル配列、抗体分子・シグナル配列などがそれぞれ利用できる。

このようにして構築された本発明のタンパク質をコードするDNAを含有するベクターを用いて、形質転換体を製造することができる。

### [0028]

宿主としては、例えば、エシェリヒア属菌、バチルス属菌、酵母、昆虫細胞、 昆虫、動物細胞などが用いられる。

エシェリヒア属菌の具体例としては、例えば、エシェリヒア・コリ (Escheric hia coli) K12・DH1 [プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 60巻, 160(1968)], JM103 [ヌクイレック・アシ

ッズ・リサーチ, (Nucleic Acids Research), 9巻, 309(1981)], J A 2 2 1 [ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー (Journal of Molec ular Biology)], 120巻, 517(1978)], HB101 [ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー, 41巻, 459(1969)], C600 [ジェネティックス (Genetics), 39巻, 440(1954)] などが用いられる

バチルス属菌としては、例えば、バチルス・サブチルス (Bacillus subtilis ) MI114 [ジーン,24巻,255(1983)],207-21 [ジャーナル・オブ・バイオケミストリー (Journal of Biochemistry),95巻,87(1984)] などが用いられる。

酵母としては、例えば、サッカロマイセス セレビシエ (Saccharomyces cere visiae) AH22, AH22R<sup>-</sup>, NA87-11A, DKD-5D, 20B-12、シゾサッカロマイセス ポンベ (Schizosaccharomyces pombe) NCYC 1913, NCYC2036、ピキア パストリス (Pichia pastoris) KM7 1などが用いられる。

#### [0029]

昆虫細胞としては、例えば、ウイルスがAcNPVの場合は、夜盗蛾の幼虫由来株化細胞(Spodoptera frugiperda cell; Sf細胞)、Trichoplusia niの中腸由来のMG1細胞、Trichoplusia niの卵由来のHigh FiveTM細胞、Mamestra brassicae由来の細胞またはEstigmena acrea由来の細胞などが用いられる。ウイルスがBmNPVの場合は、蚕由来株化細胞(Bombyx mori N細胞; BmN細胞)などが用いられる。該Sf細胞としては、例えば、Sf9細胞(ATCC CRL1711)、Sf21細胞(以上、Vaughn, J.L.ら、イン・ヴィボ(In Vivo),13,213-217,(1977))などが用いられる。

昆虫としては、例えば、カイコの幼虫などが用いられる〔前田ら、ネイチャー (Nature), 315巻, 592(1985)〕。

動物細胞としては、例えば、サル細胞COS-7, Vero, チャイニーズハムスター細胞CHO (以下、CHO細胞と略記), dhfr 遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞CHO (以下、CHO (dhfr) 細胞と略記), マウス L

細胞、マウスAtT-20、マウスミエローマ細胞、ラットGH3、ヒトFL細胞などが用いられる。

エシェリヒア属菌を形質転換するには、例えば、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンジイズ・オブ・ザ・ユーエスエー( Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 69巻, 2110(1972)やジーン(Gene), 17巻, 107(1982)などに記載の方法に従って行なうことができる

#### [0030]

バチルス属菌を形質転換するには、例えば、モレキュラー・アンド・ジェネラル・ジェネティックス (Molecular & General Genetics), 168巻, 111( 1979)などに記載の方法に従って行なうことができる。

酵母を形質転換するには、例えば、メソッズ・イン・エンザイモロジー(Methods in Enzymology), 194巻, 182-187 (1991)、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 75巻, 1929(1978) などに記載の方法に従って行なうことができる。

昆虫細胞または昆虫を形質転換するには、例えば、バイオ/テクノロジー (Bi o/Technology),6,47-55(1988)) などに記載の方法に従って行なうことができる。

動物細胞を形質転換するには、例えば、細胞工学別冊8 新細胞工学実験プロトコール. 263-267 (1995) (秀潤社発行)、ヴィロロジー (Virology), 52巻, 456(1973)に記載の方法に従って行なうことができる。

このようにして、タンパク質をコードするDNAを含有する発現ベクターで形質転換された形質転換体を得ることができる。

宿主がエシェリヒア属菌、バチルス属菌である形質転換体を培養する際、培養に使用される培地としては液体培地が適当であり、その中には該形質転換体の生育に必要な炭素源、窒素源、無機物その他が含有せしめられる。炭素源としては、例えば、グルコース、デキストリン、可溶性澱粉、ショ糖など、窒素源としては、例えば、アンモニウム塩類、硝酸塩類、コーンスチープ・リカー、ペプトン

、カゼイン、肉エキス、大豆粕、バレイショ抽出液などの無機または有機物質、 無機物としては、例えば、塩化カルシウム、リン酸二水素ナトリウム、塩化マグ ネシウムなどがあげられる。また、酵母、ビタミン類、生長促進因子などを添加 してもよい。培地のpHは約5~8が望ましい。

#### [0031]

エシェリヒア属菌を培養する際の培地としては、例えば、グルコース、カザミノ酸を含むM 9 培地 [ミラー (Miller) , ジャーナル・オブ・エクスペリメンツ・イン・モレキュラー・ジェネティックス (Journal of Experiments in Molecular Genetics) , 431-433, Cold Spring Harbor Laboratory, New York 1972] が好ましい。ここに必要によりプロモーターを効率よく働かせるために、例えば、 $3\beta$ -インドリルアクリル酸のような薬剤を加えることができる。

宿主がエシェリヒア属菌の場合、培養は通常約15~43℃で約3~24時間 行ない、必要により、通気や撹拌を加えることもできる。

宿主がバチルス属菌の場合、培養は通常約30~40℃で約6~24時間行ない、必要により通気や撹拌を加えることもできる。

宿主が酵母である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、バークホールダー (Burkholder) 最小培地 [Bostian, K. L. ら、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 77巻, 4505(1980)] や0. 5%カザミノ酸を含有するSD培地 [Bitter, G. A. ら、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 81巻, 5330(1984)] があげられる。培地のp Hは約5~8に調整するのが好ましい。培養は通常約20℃~35℃で約24~72時間行ない、必要に応じて通気や撹拌を加える。

宿主が昆虫細胞または昆虫である形質転換体を培養する際、培地としては、Grace's Insect Medium (Grace, T.C.C.,ネイチャー (Nature),195,788(1962)) に非動化した 10%ウシ血清等の添加物を適宜加えたものなどが用いられる。培地のp Hは約 6.  $2\sim6$ . 4 に調整するのが好ましい。培養は通常約 27%で約  $3\sim5$  日間行ない、必要に応じて通気や撹拌を加える。

宿主が動物細胞である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、約5~20%の胎児牛血清を含むMEM培地[サイエンス(Seience),122巻,501(1952)],DMEM培地[ヴィロロジー(Virology),8巻,396(1959)],RPMI 1640培地[ジャーナル・オブ・ザ・アメリカン・メディカル・アソシエーション(The Jounal of the American Medical Association)199巻,519(1967)],199培地[プロシージング・オブ・ザ・ソサイエティ・フォー・ザ・バイオロジカル・メディスン(Proceeding of the Society for the Biological Medicine),73巻,1(1950)]などが用いられる。p Hは約6~8であるのが好ましい。培養は通常約30~~40~で約15~60時間行ない、必要に応じて通気や撹拌を加える。

以上のようにして、形質転換体の細胞膜などに本発明のタンパク質を生成せし めることができる。

[0032]

上記培養物から本発明のタンパク質を分離精製するには、例えば、下記の方法 により行なうことができる。

本発明のタンパク質を培養菌体あるいは細胞から抽出するに際しては、培養後、公知の方法で菌体あるいは細胞を集め、これを適当な緩衝液に懸濁し、超音波、リゾチームおよび/または凍結融解などによって菌体あるいは細胞を破壊したのち、遠心分離やろ過によりタンパク質の粗抽出液を得る方法などが適宜用いられる。緩衝液の中に尿素や塩酸グアニジンなどの蛋白質変性剤や、トリトンXー100<sup>TM</sup>などの界面活性剤が含まれていてもよい。培養液中にタンパク質が分泌される場合には、培養終了後、それ自体公知の方法で菌体あるいは細胞と上清とを分離し、上清を集める。

このようにして得られた培養上清、あるいは抽出液中に含まれるタンパク質の精製は、自体公知の分離・精製法を適宜組み合わせて行なうことができる。これらの公知の分離、精製法としては、塩析や溶媒洗澱法などの溶解度を利用する方法、透析法、限外ろ過法、ゲルろ過法、およびSDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動法などの主として分子量の差を利用する方法、イオン交換クロマトグラフィーなどの荷電の差を利用する方法、アフィニティークロマトグラフィーなど

の特異的親和性を利用する方法、逆相高速液体クロマトグラフィーなどの疎水性 の差を利用する方法、等電点電気泳動法などの等電点の差を利用する方法などが 用いられる。

[0033]

かくして得られるタンパク質が遊離体で得られた場合には、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法によって塩に変換することができ、逆に塩で得られた場合には自体公知の方法あるいはそれに準じる方法により、遊離体または他の塩に変換することができる。

なお、組換え体が産生するタンパク質を、精製前または精製後に適当な蛋白修 飾酵素を作用させることにより、任意に修飾を加えたり、ポリペプチドを部分的 に除去することもできる。蛋白修飾酵素としては、例えば、トリプシン、キモト リプシン、アルギニルエンドペプチダーゼ、プロテインキナーゼ、グリコシダー ぜなどが用いられる。

かくして生成する本発明のタンパク質またはその塩の存在または活性は、標識 したリガンドとの結合実験および特異抗体を用いたエンザイムイムノアッセイな どにより測定することができる。

[0034]

本発明のタンパク質、部分ペプチドまたはそれらのエステルもしくはそれらの アミドまたはそれらの塩に対する抗体は、本発明のタンパク質、部分ペプチドま たはそれらのエステルもしくはそれらのアミドまたはそれらの塩を認識し得る抗 体であれば、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体の何れであってもよい。

本発明のタンパク質、部分ペプチドまたはそれらのエステルもしくはそれらの アミドまたはそれらの塩(以下、抗体の説明においては、これらタンパク質等を 単に本発明のタンパク質と略記する場合がある)に対する抗体は、本発明のタン パク質を抗原として用い、自体公知の抗体または抗血清の製造法に従って製造す ることができる。

[モノクローナル抗体の作製]

(a) モノクロナール抗体産生細胞の作製

本発明のタンパク質は、温血動物に対して投与により抗体産生が可能な部位に

それ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を 高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投 与してもよい。投与は通常2~6週毎に1回ずつ、計2~10回程度行われる。 用いられる温血動物としては、例えば、サル、ウサギ、イヌ、モルモット、マウ ス、ラット、ヒツジ、ヤギ、ニワトリがあげられるが、マウスおよびラットが好 ましく用いられる。

モノクローナル抗体産生細胞の作製に際しては、抗原で免疫された温血動物、例えばマウスから抗体価の認められた個体を選択し最終免疫の2~5日後に脾臓またはリンパ節を採取し、それらに含まれる抗体産生細胞を同種または異種動物の骨髄腫細胞と融合させることにより、モノクローナル抗体産生ハイブリドーマを調製することができる。抗血清中の抗体価の測定は、例えば、後記の標識化タンパク質と抗血清とを反応させたのち、抗体に結合した標識剤の活性を測定することにより行なうことができる。融合操作は既知の方法、例えば、ケーラーとミルスタインの方法[ネイチャー(Nature)、256、495(1975)]に従い実施することができる。融合促進剤としては、例えば、ポリエチレングリコール(PEG)やセンダイウィルスなどがあげられるが、好ましくはPEGが用いられる。

#### [0035]

骨髄腫細胞としては、例えば、NS-1、P3U1、SP2/0、AP-1などの温血動物の骨髄腫細胞があげられるが、P3U1が好ましく用いられる。用いられる抗体産生細胞(脾臓細胞)数と骨髄腫細胞数との好ましい比率は1:1~20:1程度であり、PEG(好ましくはPEG1000~PEG6000)が10~80%程度の濃度で添加され、20~40 $^{\circ}$ 、好ましくは30~37 $^{\circ}$ で1~10分間インキュベートすることにより効率よく細胞融合を実施できる。

モノクローナル抗体産生ハイブリドーマのスクリーニングには種々の方法が使用できるが、例えば、タンパク質抗原を直接あるいは担体とともに吸着させた固相(例、マイクロプレート)にハイブリドーマ培養上清を添加し、次に放射性物質や酵素などで標識した抗免疫グロブリン抗体(細胞融合に用いられる細胞がマウスの場合、抗マウス免疫グロブリン抗体が用いられる)またはプロテインAを加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法、抗免疫グロブリン抗

体またはプロテインAを吸着させた固相にハイブリドーマ培養上清を添加し、放射性物質や酵素などで標識したタンパク質を加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法などがあげられる。

モノクローナル抗体の選別は、自体公知あるいはそれに準じる方法に従って行なうことができる。通常HAT(ヒポキサンチン、アミノプテリン、チミジン)を添加した動物細胞用培地で行なうことができる。選別および育種用培地としては、ハイブリドーマが生育できるものならばどのような培地を用いても良い。例えば、1~20%、好ましくは10~20%の牛胎児血清を含むRPMI 1640培地、1~10%の牛胎児血清を含むGIT培地(和光純薬工業(株))あるいはハイブリドーマ培養用無血清培地(SFM−101、日水製薬(株))などを用いることができる。培養温度は、通常20~40℃、好ましくは約37℃である。培養時間は、通常5日~3週間、好ましくは1週間~2週間である。培養は、通常5%炭酸ガス下で行なうことができる。ハイブリドーマ培養上清の抗体価は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。

[0036]

## (b) モノクロナール抗体の精製

モノクローナル抗体の分離精製は、自体公知の方法、例えば、免疫グロブリンの分離精製法〔例、塩析法、アルコール沈殿法、等電点沈殿法、電気泳動法、イオン交換体(例、DEAE)による吸脱着法、超遠心法、ゲルろ過法、抗原結合固相あるいはプロテインAあるいはプロテインGなどの活性吸着剤により抗体のみを採取し、結合を解離させて抗体を得る特異的精製法〕に従って行なうことができる。

[0037]

## [ポリクローナル抗体の作製]

本発明のポリクローナル抗体は、それ自体公知あるいはそれに準じる方法に従って製造することができる。例えば、免疫抗原(タンパク質抗原)自体、あるいはそれとキャリアー蛋白質との複合体をつくり、上記のモノクローナル抗体の製造法と同様に温血動物に免疫を行ない、該免疫動物から本発明のタンパク質に対する抗体含有物を採取して、抗体の分離精製を行なうことにより製造することが

できる。

温血動物を免疫するために用いられる免疫抗原とキャリアー蛋白質との複合体に関し、キャリアー蛋白質の種類およびキャリアーとハプテンとの混合比は、キャリアーに架橋させて免疫したハプテンに対して抗体が効率良くできれば、どの様なものをどの様な比率で架橋させてもよいが、例えば、ウシ血清アルブミンやウシサイログロブリン、ヘモシアニン等を重量比でハプテン1に対し、約0.1~20、好ましくは約1~5の割合でカプルさせる方法が用いられる。

また、ハプテンとキャリアーのカプリングには、種々の縮合剤を用いることができるが、グルタルアルデヒドやカルボジイミド、マレイミド活性エステル、チオール基、ジチオビリジル基を含有する活性エステル試薬等が用いられる。

縮合生成物は、温血動物に対して、抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは 担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全 フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投 与は、通常約2~6週毎に1回ずつ、計約3~10回程度行なわれる。

ポリクローナル抗体は、上記の方法で免疫された温血動物の血液、腹水など、 好ましくは血液から採取することができる。

抗血清中のポリクローナル抗体価の測定は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。ポリクローナル抗体の分離精製は、上記のモノクローナル抗体の分離精製と同様の免疫グロブリンの分離精製法に従って行なうことができる。

[0038]

本発明のタンパク質または部分ペプチドをコードするDNA(以下、アンチセンスDNAの説明においては、これらのDNAを本発明のDNAと略記する)に相補的な、または実質的に相補的な塩基配列を有するアンチセンスDNAとしては、本発明のDNAに相補的な、または実質的に相補的な塩基配列を有し、該DNAの発現を抑制し得る作用を有するものであれば、いずれのアンチセンスDNAであってもよい。

本発明のDNAに実質的に相補的な塩基配列とは、例えば、本発明のDNAに 相補的な塩基配列(すなわち、本発明のDNAの相補鎖)の全塩基配列あるいは 部分塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列などがあげられる。特に、本発明のDNAの相補鎖の全塩基配列うち、本発明のタンパク質のN末端部位をコードする部分の塩基配列(例えば、開始コドン付近の塩基配列など)の相補鎖と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアンチセンスDNAが好適である。これらのアンチセンスDNAは、公知のDNA合成装置などを用いて製造することができる。

#### [0039]

以下に、本発明のタンパク質、部分ペプチドまたはそれらの塩(以下、本発明のタンパク質等と略記する場合がある)、本発明のタンパク質または部分ペプチドをコードするDNA(以下、本発明のDNAと略記する場合がある)、本発明のタンパク質、部分ペプチドまたはそれらの塩に対する抗体(以下、本発明の抗体と略記する場合がある)、およびアンチセンスDNAの用途を説明する。

[0040]

# (1) 本発明のタンパク質が関与する各種疾病の治療・予防剤

本発明のタンパク質は細胞刺激活性などを有しているので、本発明のタンパク質をコードするDNAに異常があったり、欠損している場合、例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎,急性心筋梗塞,急性膵炎,急性ウイルス脳炎,成人呼吸促迫症候群,アルコール性肝炎,アルツハイマー病,喘息,動脈硬化,アトピー性皮膚炎,バクテリア肺炎,膀胱がん,骨折,乳がん,過食症,多食症,火傷治癒,子宮頸部がん,慢性リンパ性白血病,慢性胃髄性白血病,慢性膵炎,肝硬変,大腸がん(結腸/直腸がん),クローン病,痴呆,糖尿病性合併症,糖尿病性腎症,糖尿病性神経障害,糖尿病性網膜症,胃炎,ヘリコバクター・ピロリ感染症,肝不全,A型肝炎,B型肝炎,C型肝炎,肝炎,単純ヘルペスウイルス感染症,水痘帯状疱疹ウイルス感染症,ホジキン病,エイズ感染症,ヒトパピローマウイルス感染症,高カルシウム血症,高コレステロール血症,高グリセリド血症,高脂血症,感染症,インフルエンザ感染症,インシュリン依存性糖尿病(I型),侵襲性ブドウ状球菌感染症,悪性

黒色腫,がん転移,多発性骨髄腫,アレルギー性鼻炎,腎炎,非ホジキン性リンパ腫,インシュリン非依存性糖尿病(II型),非小細胞肺がん,臓器移植,骨関節炎,骨軟化症,骨減少症,骨粗鬆症,卵巣がん,骨ペーチェット病,消化性潰瘍,末梢血管疾患,前立腺がん,逆流性食道炎,腎不全,リウマチ関節炎,精神分裂症,敗血症,敗血症ショック,重症全身性真菌感染症,小細胞肺がん,脊髄損傷,胃がん,全身性エリテマトーサス,一過性脳虚血発作,結核,心弁膜症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等の種々の疾病が発症する可能性が高い。

従って、本発明のタンパク質等および本発明のDNAは、例えば、上記の種々 の疾病の治療・予防剤などの医薬として使用することができる。

例えば、生体内において本発明のタンパク質が減少あるいは欠損している患者がいる場合に、(イ)本発明のDNAを該患者に投与し、生体内で本発明のタンパク質等を発現させることによって、(ロ)細胞に本発明のDNAを挿入し、本発明のタンパク質等を発現させた後に、該細胞を患者に移植することによって、または(ハ)本発明のタンパク質等を該患者に投与することなどによって、該患者における本発明のタンパク質等の役割を十分に、あるいは正常に発揮させることができる。

本発明のDNAを上記の治療・予防剤として使用する場合は、該DNAを単独 あるいはレトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノウイルスア ソシエーテッドウイルスベクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段 に従って、ヒトまたは温血動物に投与することができる。本発明のDNAは、そ のままで、あるいは摂取促進のための補助剤などの生理学的に認められる担体と ともに製剤化し、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによっ て投与できる。

本発明のタンパク質等を上記の治療・予防剤として使用する場合は、少なくとも90%、好ましくは95%以上、より好ましくは98%以上、さらに好ましくは99%以上に精製されたものを使用するのが好ましい。

[0041]

本発明のタンパク質等は、例えば、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル

剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、本発明のタンパク質等を生理学的に認められる担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な容量が得られるようにするものである。

錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、前記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。

注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液(例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど)などがあげられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール(例えば、エタノールなど)、ポリアルコール(例えば、プロピレングリコール、ポリエチレングリコールなど)、非イオン性界面活性剤(例えば、ポリソルベート80<sup>TM</sup>、HCO-50など)などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などがあげられ、溶解補助剤として安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。また、緩衝剤(例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液など)、無痛化剤(例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど)、安定剤(例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど)、保存剤(例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど)、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は、通常、適当なアンプルに充填される。

本発明のDNAが挿入されたベクターも上記と同様に製剤化され、通常、非経口的に使用される。

[0042]

このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは温血動物 (例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、トリ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サル、など) に対して投与することができる。

本発明のタンパク質等の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、神経疾患の治療目的で本発明のタンパク質等を経口投与する場合、一般的に成人(60kgとして)においては、一日につき該タンパク質等を約0.1mg~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該タンパク質等の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、神経疾患の治療目的で本発明のタンパク質等を注射剤の形で成人(体重60kgとして)に投与する場合、一日につき該タンパク質等を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を患部に注射することにより投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

[0043]

# (2)疾病に対する医薬候補化合物のスクリーニング

本発明のタンパク質等は細胞刺激活性などを有するため、本発明のタンパク質等の機能(例、細胞刺激活性など)を促進または阻害する化合物またはその塩は、例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎、急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮膚炎、バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳がん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん、慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、慢性膵炎、肝硬変、大腸がん(結腸/直腸がん)、クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感染症、肝不全、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹

ウイルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、感染症、インフルエンザ感染症、インシュリン依存性糖尿病(I型)、侵襲性ブドウ状球菌感染症、悪性黒色腫、がん転移、多発性骨髄腫、アレルギー性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、インシュリン非依存性糖尿病(II型)、非小細胞肺がん、臓器移植、骨関節炎、骨軟化症、骨減少症、骨粗鬆症、卵巣がん、骨ペーチェット病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん、逆流性食道炎、腎不全、リウマチ関節炎、精神分裂症、敗血症、敗血症ショック、重症全身性真菌感染症、小細胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、結核、心弁膜症、血管性/多発梗塞痴呆、創傷治癒、不眠症、関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等の疾病の治療・予防剤などの医薬として使用できる。

従って、本発明のタンパク質等は、本発明のタンパク質等の機能を促進または 阻害する化合物またはその塩のスクリーニングのための試薬として有用である。 すなわち、本発明は、

- (1)本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩を用いることを 特徴とする本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩の機能(例 えば、細胞刺激活性など)を促進する化合物もしくはその塩(以下、促進剤と略 記する場合がある)、または本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれ らの塩の機能を阻害する化合物(以下、阻害剤と略記する場合がある)のスクリ ーニング方法を提供し、より具体的には、例えば、
- (2) (i) 本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩に基質を接触させた場合と(ii) 本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩に基質および試験化合物を接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする促進剤または阻害剤のスクリーニング方法を提供する。

具体的には、上記スクリーニング方法においては、例えば、(i)と(ii)の 場合における、本発明のタンパク質等の細胞刺激活性などを測定して、比較する ことを特徴とするものである。

# [0044]

本発明のタンパク質等の細胞刺激活性などは、自体公知の方法、例えば、Dock ray, G.J. et al., Nature, 305, 328-330, 1983, Fukusumi, S., et al., Biochem. Biophys. Res. Commun., 232, 157-163, 1997, Hinuma, S., et al., Nature, 393, 272-276, 1998, Tatemoto, K., et al. Biochem. Biophys. Res. Commun., 251, 471-476, 1998.などに記載の方法あるいはそれに準じる方法などに従って測定することができる。

試験化合物としては、例えば、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液などがあげられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

上記のスクリーニング方法を実施するには、本発明のタンパク質等を、スクリーニングに適したバッファーに懸濁することにより本発明のタンパク質等の標品を調製する。バッファーには、pH約4~10(望ましくは、pH約6~8)のリン酸バッファー、トリスー塩酸バッファーなどの、本発明のタンパク質等と基質との反応を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。

# [0045]

例えば、上記(ii)の場合における細胞刺激活性などが上記(i)の場合に比べて、約20%以上、好ましくは30%以上、より好ましくは約50%以上上昇させる試験化合物を本発明のタンパク質等の細胞刺激活性などを促進する化合物として、一方、上記(ii)の場合における細胞刺激活性などが上記(i)の場合に比べて、約20%以上、好ましくは30%以上、より好ましくは約50%以上阻害する試験化合物を本発明のタンパク質等の細胞刺激活性などを阻害する化合物として選択することができる。

# [0046]

本発明のスクリーニング用キットは、本発明のタンパク質、部分ペプチドまたはそれらの塩を含有するものである。

# [0047]

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる

化合物またはその塩は、上記した試験化合物、例えば、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などから選ばれた化合物であり、本発明のタンパク質等の機能(例、細胞刺激活性など)を促進または阻害する化合物である。

該化合物の塩としては、前記した本発明のタンパク質の塩と同様のものが用い られる。

# [0048]

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる 化合物を上述の治療・予防剤として使用する場合、常套手段に従って実施するこ とができる。例えば、前記した本発明のタンパク質等を含有する医薬と同様にし て、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁 液剤などとすることができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは 温血動物 (例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、トリ 、ネコ、イヌ、サル、など) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、その作用、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、本発明のタンパク質等の機能を促進する化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、本発明のタンパク質等の機能を促進する化合物を注射剤の形で通常成人(60kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

一方、本発明のタンパク質等の機能を阻害する化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約0.1  $\sim 100$  mg、好ましくは約 $1.0\sim 50$  mg、より好ましくは約 $1.0\sim 20$ 

mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、本発明のタンパク質等の機能を阻害する化合物を注射剤の形で通常成人(60kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

[0049]

(3) 本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩の定量

本発明のタンパク質等に対する抗体(以下、本発明の抗体と略記する場合がある)は、本発明のタンパク質等を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のタンパク質等の定量、特にサンドイッチ免疫測定法による定量などに使用することができる。

すなわち、本発明は、

- (i) 本発明の抗体と、被検液および標識化された本発明のタンパク質等とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された本発明のタンパク質等の割合を 測定することを特徴とする被検液中の本発明のタンパク質等の定量法、および
- (ii) 被検液と担体上に不溶化した本発明の抗体および標識化された本発明の別の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の本発明のタンパク質等の定量法を提供する。
- 上記(ii)の定量法においては、一方の抗体が本発明のタンパク質等のN端部を認識する抗体で、他方の抗体が本発明のタンパク質等のC端部に反応する抗体であることが望ましい。

[0050]

また、本発明のタンパク質等に対するモノクローナル抗体(以下、本発明のモノクローナル抗体と称する場合がある)を用いて本発明のタンパク質等の定量を行なえるほか、組織染色等による検出を行なうこともできる。これらの目的には、抗体分子のものを用いてもよく、また、抗体分子のF(ab')<sub>2</sub>、Fab'、

あるいはFab画分を用いてもよい。

本発明の抗体を用いる本発明のタンパク質等の定量法は、 特に制限されるべきものではなく、被測定液中の抗原量 (例えば、タンパク質量) に対応した抗体、抗原もしくは抗体-抗原複合体の量を化学的または物理的手段により検出し、これを既知量の抗原を含む標準液を用いて作製した標準曲線より算出する測定法であれば、いずれの測定法を用いてもよい。例えば、ネフロメトリー、競合法、イムノメトリック法およびサンドイッチ法が好適に用いられるが、感度、特異性の点で、後述するサンドイッチ法を用いるのが特に好ましい。

標識物質を用いる測定法に用いられる標識剤としては、例えば、放射性同位元素、酵素、蛍光物質などが用いられる。放射性同位元素としては、例えば、 $\{1^{125}I\}$ 、 $\{1^{31}I\}$ 、 $\{1^{3}H\}$ 、 $\{1^{4}C\}$  などが用いられる。上記酵素としては、安定で比活性の大きなものが好ましく、例えば、 $\{1^{3}H\}$  、 $\{1^{4}C\}$  などが用いられる。上記酵素としては、安定で比活性の大きなものが好ましく、例えば、 $\{1^{3}H\}$  、 $\{1^{4}C\}$  などが用いられる。上記酵素としては、 $\{1^{2}H\}$  、 $\{1^{4}C\}$  などが用いられる。 $\{1^{4}H\}$  、 $\{1^{4}C\}$  などが用いられる。 $\{1^{4}H\}$  、 $\{1^{4}C\}$  などが用いるする。 $\{1^{4}H\}$  、 $\{1^{4}C\}$  などが用いられる。 $\{1^{4}H\}$  、 $\{1^{4}C\}$  などが用いられる。発光物質としては、例えば、 $\{1^{4}H\}$  などが用いられる。 $\{1^{4}H\}$  などが用いられる。 $\{1^{4}H\}$  などが用いられる。さらに、抗体あるいは抗原と標識剤との結合にビオチンーアビジン系を用いることもできる。

# [0051]

抗原あるいは抗体の不溶化に当っては、物理吸着を用いてもよく、また通常タンパク質あるいは酵素等を不溶化、固定化するのに用いられる化学結合を用いる方法でもよい。担体としては、アガロース、デキストラン、セルロースなどの不溶性多糖類、ポリスチレン、ポリアクリルアミド、シリコン等の合成樹脂、あるいはガラス等があげられる。

サンドイッチ法においては不溶化した本発明のモノクローナル抗体に被検液を 反応させ(1次反応)、さらに標識化した別の本発明のモノクローナル抗体を反 応させ(2次反応)たのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することにより 被検液中の本発明のタンパク質量を定量することができる。1次反応と2次反応 は逆の順序に行っても、また、同時に行なってもよいし時間をずらして行なって もよい。標識化剤および不溶化の方法は前記のそれらに準じることができる。また、サンドイッチ法による免疫測定法において、固相用抗体あるいは標識用抗体に用いられる抗体は必ずしも1種類である必要はなく、測定感度を向上させる等の目的で2種類以上の抗体の混合物を用いてもよい。

本発明のサンドイッチ法による本発明のタンパク質等の測定法においては、1 次反応と2次反応に用いられる本発明のモノクローナル抗体は、本発明のタンパク質等の結合する部位が相異なる抗体が好ましく用いられる。すなわち、1次反応および2次反応に用いられる抗体は、例えば、2次反応で用いられる抗体が、本発明のタンパク質等のC端部を認識する場合、1次反応で用いられる抗体は、好ましくはC端部以外、例えばN端部を認識する抗体が用いられる。

# [0052]

本発明のモノクローナル抗体をサンドイッチ法以外の測定システム、例えば、 競合法、イムノメトリック法あるいはネフロメトリーなどに用いることができる

競合法では、被検液中の抗原と標識抗原とを抗体に対して競合的に反応させたのち、未反応の標識抗原(F)と、抗体と結合した標識抗原(B)とを分離し(B/F分離)、B,Fいずれかの標識量を測定し、被検液中の抗原量を定量する。本反応法には、抗体として可溶性抗体を用い、B/F分離をポリエチレングリコール、前記抗体に対する第2抗体などを用いる液相法、および、第1抗体として固相化抗体を用いるか、あるいは、第1抗体は可溶性のものを用い第2抗体として固相化抗体を用いる固相化法とが用いられる。

イムノメトリック法では、被検液中の抗原と固相化抗原とを一定量の標識化抗体に対して競合反応させた後固相と液相を分離するか、あるいは、被検液中の抗原と過剰量の標識化抗体とを反応させ、次に固相化抗原を加え未反応の標識化抗体を固相に結合させたのち、固相と液相を分離する。次に、いずれかの相の標識量を測定し被検液中の抗原量を定量する。

また、ネフロメトリーでは、ゲル内あるいは溶液中で抗原抗体反応の結果生じた不溶性の沈降物の量を測定する。被検液中の抗原量が僅かであり、少量の沈降物しか得られない場合にもレーザーの散乱を利用するレーザーネフロメトリーな

どが好適に用いられる。

[0053]

これら個々の免疫学的測定法を本発明の定量方法に適用するにあたっては、特別の条件、操作等の設定は必要とされない。それぞれの方法における通常の条件、操作法に当業者の通常の技術的配慮を加えて本発明のタンパク質等の測定系を構築すればよい。これらの一般的な技術手段の詳細については、総説、成書などを参照することができる。

例えば、入江 寛編「ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和49年発行)、 入江 寛編「続ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和54年発行)、石川栄治 ら編「酵素免疫測定法」(医学書院、昭和53年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫 疫測定法」(第2版)(医学書院、昭和57年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫 測定法」(第3版)(医学書院、昭和62年発行)、「Methods in ENZYMOLOGY」 Vol. 70(Immunochemical Techniques(Part A))、同書 Vol. 73(Immunochemical 1 Techniques(Part B))、同書 Vol. 74(Immunochemical Techniques(Part C)) 、同書 Vol. 84(Immunochemical Techniques(Part D:Selected Immunoassays))、同書 Vol. 92(Immunochemical Techniques(Part E:Monoclonal Antibodies a nd General Immunoassay Methods))、同書 Vol. 121(Immunochemical Techniques(Part I:Hybridoma Technology and Monoclonal Antibodies))(以上、アカデ ミックプレス社発行)などを参照することができる。

以上のようにして、本発明の抗体を用いることによって、本発明のタンパク質等を感度良く定量することができる。

さらには、本発明の抗体を用いて本発明のタンパク質等の濃度を定量することによって、(1)本発明のタンパク質等の濃度の減少または増加が検出された場合、例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎、急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮膚炎、バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳がん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん、慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、慢性膵炎、肝硬変、大腸がん(結腸/直腸がん)、クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性

神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感染症、肝不全、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹ウイルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、感染症、インフルエンザ感染症、インシュリン依存性糖尿病(I型)、侵襲性ブドウ状球菌感染症、悪性黒色腫、がん転移、多発性骨髄腫、アレルギー性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、インシュリン非依存性糖尿病(II型)、非小細胞肺がん、臓器移植、骨関節炎、骨軟化症、骨減少症、骨粗鬆症、卵巣がん、骨ペーチェット病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん、逆流性食道炎、腎不全、リウマチ関節炎、精神分裂症、敗血症、敗血症ショック、重症全身性真菌感染症、小細胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、結核、心弁膜症、血管性/多発梗塞痴呆、創傷治癒、不眠症、関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、觀尿、尿毒症、または神経変成疾患等の疾病である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

また、本発明の抗体は、体液や組織などの被検体中に存在する本発明のタンパク質等を検出するために使用することができる。また、本発明のタンパク質等を精製するために使用する抗体カラムの作製、精製時の各分画中の本発明のタンパク質等の検出、被検細胞内における本発明のタンパク質の挙動の分析などのために使用することができる。

[0054]

#### (4) 遺伝子診断剤

本発明のDNAは、例えば、プローブとして使用することにより、ヒトまたは 温血動物(例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、トリ、ヒツジ、ブタ 、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サル、など)における本発明のタンパク質またはそ の部分ペプチドをコードするDNAまたはmRNAの異常(遺伝子異常)を検出 することができるので、例えば、該DNAまたはmRNAの損傷、突然変異ある いは発現低下や、該DNAまたはmRNAの増加あるいは発現過多などの遺伝子 診断剤として有用である。

本発明のDNAを用いる上記の遺伝子診断は、例えば、自体公知のノーザンハ

イブリダイゼーションやPCR-SSCP法(ゲノミックス(Genomics), 第5巻, 874~879頁(1989年)、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ユーエスエー(Proceedings of the Natinal Academy of Sciences of the United States of America), 第86巻, 2766~2770頁(1989年))などにより実施することができる

例えば、ノーザンハイブリダイゼーションにより発現低下または過多が検出さ れた場合は、 例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性 バクテリア髄膜炎、急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫 症候群、アルコール性肝炎、アルツハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮 膚炎、バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳がん、過食症、多食症、火傷治癒、 子宮頸部がん,慢性リンパ性白血病,慢性骨髄性白血病,慢性膵炎,肝硬変,大 腸がん(結腸/直腸がん),クローン病,痴呆,糖尿病性合併症,糖尿病性腎症 ,糖尿病性神経障害,糖尿病性網膜症,胃炎,ヘリコバクター・ピロリ感染症, 肝不全、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、 水痘帯状疱疹ウイルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイ ルス感染症、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高 脂血症、感染症、インフルエンザ感染症、インシュリン依存性糖尿病(I型)、 侵襲性ブドウ状球菌感染症,悪性黒色腫,がん転移,多発性骨髄腫,アレルギー 性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、インシュリン非依存性糖尿病(II型)、 非小細胞肺がん,臓器移植,骨関節炎,骨軟化症,骨減少症,骨粗鬆症,卵巣が ん、骨ペーチェット病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん、逆流性食道炎 ,腎不全,リウマチ関節炎,精神分裂症,敗血症,敗血症ショック,重症全身性 真菌感染症、小細胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過 性脳虚血発作,結核,心弁膜症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関 節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等である可 能性が高いと診断することができる。

[0055]

(5) アンチセンスDNAを含有する医薬

本発明のDNAに相補的に結合し、該DNAの発現を抑制することができるア ンチセンスDNAは、例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障 、急性バクテリア髄膜炎,急性心筋梗塞,急性膵炎,急性ウイルス脳炎,成人呼 吸促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピ ー性皮膚炎、バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳がん、過食症、多食症、火傷 治癒、子宮頸部がん、慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、慢性膵炎、肝硬 変、大腸がん(結腸/直腸がん)、クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖尿病 性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感 染症, 肝不全, A型肝炎, B型肝炎, C型肝炎, 肝炎, 単純ヘルペスウイルス感 染症、水痘帯状疱疹ウイルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピロー マウイルス感染症、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血 症、高脂血症、感染症、インフルエンザ感染症、インシュリン依存性糖尿病(I 型),侵襲性ブドウ状球菌感染症,悪性黒色腫,がん転移,多発性骨髄腫,アレ ルギー性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、インシュリン非依存性糖尿病(II 型), 非小細胞肺がん, 臓器移植, 骨関節炎, 骨軟化症, 骨減少症, 骨粗鬆症, 卵巣がん、骨ペーチェット病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん、逆流性 食道炎、腎不全、リウマチ関節炎、精神分裂症、敗血症、敗血症ショック、重症 全身性真菌感染症、小細胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス ,一過性脳虚血発作,結核,心弁膜症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠 症、関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等の 疾病の治療・予防剤として使用することができる。

上記アンチセンスDNAを上記の治療・予防剤として使用する場合、前記した本発明のDNAを含有する各種疾病の治療・予防剤と同様にして実施することができる。

例えば、該アンチセンスDNAを用いる場合、該アンチセンスDNAを単独あるいはレトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノウイルスアソシエーテッドウイルスベクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従って実施することができる。該アンチセンスDNAは、そのままで、あるいは摂取促進のために補助剤などの生理学的に認められる担体とともに製剤化し、遺

伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与できる。

さらに、該アンチセンスDNAは、組織や細胞における本発明のDNAの存在 やその発現状況を調べるための診断用オリゴヌクレオチドプローブとして使用す ることもできる。

[0056]

#### (6) 本発明の抗体を含有する医薬

本発明のタンパク質等の活性を中和する作用を有する本発明の抗体は、例えば 、 高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎, 急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール 性肝炎、アルツハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮膚炎、バクテリア肺 炎、膀胱がん、骨折、乳がん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん、慢性 リンパ性白血病,慢性骨髄性白血病,慢性膵炎,肝硬変,大腸がん(結腸/直腸 がん)、クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害 ,糖尿病性網膜症,胃炎,ヘリコバクター・ピロリ感染症,肝不全,A型肝炎, B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹ウイル ス感染症,ホジキン病,エイズ感染症,ヒトパピローマウイルス感染症,高カル シウム血症,高コレステロール血症,高グリセリド血症,高脂血症,感染症,イ ンフルエンザ感染症、インシュリン依存性糖尿病(Ⅰ型)、侵襲性ブドウ状球菌 感染症、悪性黒色腫、がん転移、多発性骨髄腫、アレルギー性鼻炎、腎炎、非ホ ジキン性リンパ腫、インシュリン非依存性糖尿病(II型),非小細胞肺がん,臓 器移植、骨関節炎、骨軟化症、骨減少症、骨粗鬆症、卵巣がん、骨ペーチェット 病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん、逆流性食道炎、腎不全、リウマチ 関節炎、精神分裂症、敗血症、敗血症ショック、重症全身性真菌感染症、小細胞 肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、結核 ,心弁膜症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関節炎、下垂体ホルモ ン分泌不全、獺尿、尿毒症、または神経変成疾患等の疾病の治療・予防剤などの 医薬として使用することができる。

本発明の抗体を含有する上記疾患の治療・予防剤は、そのまま液剤として、または適当な剤型の医薬組成物として、ヒトまたは哺乳動物(例、ラット、ウサギ

、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど)に対して経口的または非経口的に投与することができる。投与量は、投与対象、対象疾患、症状、投与ルートなどによっても異なるが、例えば、成人の神経疾患患者(具体的疾患名を一つご記入下さい)の治療・予防のために使用する場合には、本発明の抗体を1回量として、通常0.01~20mg/kg体重程度、好ましくは0.1~10mg/kg体重程度、さらに好ましくは0.1~5mg/kg体重程度を、1日1~5回程度、好ましくは1日1~3回程度、静脈注射により投与するのが好都合である。他の非経口投与および経口投与の場合もこれに準ずる量を投与することができる。症状が特に重い場合には、その症状に応じて増量してもよい。

本発明の抗体は、それ自体または適当な医薬組成物として投与することができる。上記投与に用いられる医薬組成物は、上記またはその塩と薬理学的に許容され得る担体、希釈剤もしくは賦形剤とを含むものである。かかる組成物は、経口または非経口投与に適する剤形として提供される。

すなわち、例えば、経口投与のための組成物としては、固体または液体の剤形、具体的には錠剤(糖衣錠、フィルムコーティング錠を含む)、丸剤、顆粒剤、散剤、カプセル剤(ソフトカプセル剤を含む)、シロップ剤、乳剤、懸濁剤などがあげられる。かかる組成物は自体公知の方法によって製造され、製剤分野において通常用いられる担体、希釈剤もしくは賦形剤を含有するものである。例えば、錠剤用の担体、賦形剤としては、乳糖、でんぷん、蔗糖、ステアリン酸マグネシウムなどが用いられる。

# [0057]

非経口投与のための組成物としては、例えば、注射剤、坐剤などが用いられ、 注射剤は静脈注射剤、皮下注射剤、皮内注射剤、筋肉注射剤、点滴注射剤などの 剤形を包含する。かかる注射剤は、自体公知の方法に従って、例えば、上記抗体 またはその塩を通常注射剤に用いられる無菌の水性もしくは油性液に溶解、懸濁 または乳化することによって調製する。注射用の水性液としては、例えば、生理 食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液などが用いられ、適当な溶解補 助剤、例えば、アルコール(例、エタノール)、ポリアルコール(例、プロピレ ングリコール、ポリエチレングリコール)、非イオン界面活性剤〔例、ポリソル ベート80、HCO-50 (polyoxyethylene (50mol) adduct of hydrogenat ed castor oil)] などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤として安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどを併用してもよい。調製された注射液は、通常、適当なアンプルに充填される。直腸投与に用いられる坐剤は、上記抗体またはその塩を通常の坐薬用基剤に混合することによって調製される。

上記の経口用または非経口用医薬組成物は、活性成分の投与量に適合するような投薬単位の剤形に調製されることが好都合である。かかる投薬単位の剤形としては、錠剤、丸剤、カプセル剤、注射剤(アンプル)、坐剤などが例示され、それぞれの投薬単位剤形当たり通常5~500mg、とりわけ注射剤では5~100mg、その他の剤形では10~250mgの上記抗体が含有されていることが好ましい。

なお前記した各組成物は、上記抗体との配合により好ましくない相互作用を生 じない限り他の活性成分を含有してもよい。

[0058]

# (7) DNA転移動物

本発明は、外来性の本発明のタンパク質等をコードするDNA(以下、本発明の外来性DNAと略記する)またはその変異DNA(本発明の外来性変異DNAと略記する場合がある)を有する非ヒト哺乳動物を提供する。

すなわち、本発明は、

- (1) 本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを有する非ヒト哺乳動物、
- (2) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(1)記載の動物、
- (3) ゲッ歯動物がマウスまたはラットである第(2)記載の動物、および
- (4) 本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを含有し、哺乳動物において 発現しうる組換えベクターを提供するものである。

本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを有する非ヒト哺乳動物(以下、本発明のDNA転移動物と略記する)は、未受精卵、受精卵、精子およびその始原細胞を含む胚芽細胞などに対して、好ましくは、非ヒト哺乳動物の発生における胚発生の段階(さらに好ましくは、単細胞または受精卵細胞の段階でかつ一般

に8細胞期以前)に、リン酸カルシウム法、電気パルス法、リポフェクション法、凝集法、マイクロインジェクション法、パーティクルガン法、DEAEーデキストラン法などにより目的とするDNAを転移することによって作出することができる。また、該DNA転移方法により、体細胞、生体の臓器、組織細胞などに目的とする本発明の外来性DNAを転移し、細胞培養、組織培養などに利用することもでき、さらに、これら細胞を上述の胚芽細胞と自体公知の細胞融合法により融合させることにより本発明のDNA転移動物を作出することもできる。

#### [0059]

非ヒト哺乳動物としては、例えば、ウシ、ブタ、ヒツジ、ヤギ、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、マウス、ラットなどが用いられる。なかでも、病体動物モデル系の作成の面から個体発生および生物サイクルが比較的短く、また、繁殖が容易なゲッ歯動物、とりわけマウス(例えば、純系として、C57BL/6系統,DBA2系統など、交雑系として、 $B6C3F_1$ 系統, $BDF_1$ 系統, $B6D2F_1$ 系統,BALB/c系統,ICR系統など)またはラット(例えば、Wistar, SDなど)などが好ましい。

哺乳動物において発現しうる組換えベクターにおける「哺乳動物」としては、 上記の非ヒト哺乳動物の他にヒトなどがあげられる。

本発明の外来性DNAとは、非ヒト哺乳動物が本来有している本発明のDNAではなく、いったん哺乳動物から単離・抽出された本発明のDNAをいう。

本発明の変異DNAとしては、元の本発明のDNAの塩基配列に変異(例えば、突然変異など)が生じたもの、具体的には、塩基の付加、欠損、他の塩基への置換などが生じたDNAなどが用いられ、また、異常DNAも含まれる。

該異常DNAとしては、異常な本発明のタンパク質を発現させるDNAを意味 し、例えば、正常な本発明のタンパク質の機能を抑制するタンパク質を発現させ るDNAなどが用いられる。

本発明の外来性DNAは、対象とする動物と同種あるいは異種のどちらの哺乳動物由来のものであってもよい。本発明のDNAを対象動物に転移させるにあたっては、該DNAを動物細胞で発現させうるプロモーターの下流に結合したDNAコンストラクトとして用いるのが一般に有利である。例えば、本発明のヒトD

NAを転移させる場合、これと相同性が高い本発明のDNAを有する各種哺乳動物 (例えば、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど) 由来のDNAを発現させうる各種プロモーターの下流に、本発明のヒトDNAを結合したDNAコンストラクト (例、ベクターなど)を対象哺乳動物の受精卵、例えば、マウス受精卵へマイクロインジェクションすることによって本発明のDNAを高発現するDNA転移哺乳動物を作出することができる。

#### [0060]

本発明のタンパク質の発現ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド、枯草 菌由来のプラスミド、酵母由来のプラスミド、λファージなどのバクテリオファ ージ、モロニー白血病ウィルスなどのレトロウィルス、ワクシニアウィルスまた はバキュロウィルスなどの動物ウイルスなどが用いられる。なかでも、大腸菌由 来のプラスミド、枯草菌由来のプラスミドまたは酵母由来のプラスミドなどが好 ましく用いられる。

上記のDNA発現調節を行なうプロモーターとしては、例えば、①ウイルス( 例、シミアンウイルス、サイトメガロウイルス、モロニー白血病ウイルス、JC ウイルス、乳癌ウイルス、ポリオウイルスなど)に由来するDNAのプロモータ 一、②各種哺乳動物(ヒト、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラ ット、マウスなど)由来のプロモーター、例えば、アルブミン、インスリンII 、ウロプラキンII、エラスターゼ、エリスロポエチン、エンドセリン、筋クレ アチンキナーゼ、グリア線維性酸性タンパク質、グルタチオンS-トランスフェ ラーゼ、血小板由来成長因子β、ケラチンK1, K10およびK14、コラーゲ ン I 型および I I 型、サイクリック AMP依存タンパク質キナーゼ β I サブユニ ット、ジストロフィン、酒石酸抵抗性アルカリフォスファターゼ、心房ナトリウ ム利尿性因子、内皮レセプターチロシンキナーゼ(一般にTie2と略される) 、ナトリウムカリウムアデノシン3リン酸化酵素(Na,K-ATPase)、 ニューロフィラメント軽鎖、メタロチオネインIおよびIIA、メタロプロティ ナーゼ1組織インヒピター、MHCクラスI抗原(H-2L)、H-ras、レ ニン、ドーパミンβ-水酸化酵素、甲状腺ペルオキシダーゼ(TPO)、ポリペ プチド鎖延長因子 $1\alpha$  ( $EF-1\alpha$ )、 $\beta$ アクチン、 $\alpha$ および $\beta$ ミオシン重鎖、

ミオシン軽鎖 1 および 2 、ミエリン基礎タンパク質、チログロブリン、Thy-1 、免疫グロブリン、H鎖可変部(VNP)、血清アミロイドPコンポーネント、ミオグロビン、トロポニンC、平滑筋  $\alpha$  アクチン、プレプロエンケファリン A 、バソプレシンなどのプロモーターなどが用いられる。なかでも、全身で高発現することが可能なサイトメガロウイルスプロモーター、ヒトポリペプチド鎖延長因子 1  $\alpha$  (EF-1  $\alpha$ ) のプロモーター、ヒトおよびニワトリ $\beta$  アクチンプロモーターなどが好適である。

#### [0061]

上記ベクターは、DNA転移哺乳動物において目的とするメッセンジャーRNAの転写を終結する配列(一般にターミネターと呼ばれる)を有していることが好ましく、例えば、ウイルス由来および各種哺乳動物由来の各DNAの配列を用いることができ、好ましくは、シミアンウイルスのSV40ターミネターなどが用いられる。

その他、目的とする外来性DNAをさらに高発現させる目的で各DNAのスプライシングシグナル、エンハンサー領域、真核DNAのイントロンの一部などをプロモーター領域の5 ′上流、プロモーター領域と翻訳領域間あるいは翻訳領域の3 ′下流 に連結することも目的により可能である。

正常な本発明のタンパク質の翻訳領域は、ヒトまたは各種哺乳動物(例えば、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど)由来の肝臓、腎臓、甲状腺細胞、線維芽細胞由来DNAおよび市販の各種ゲノムDNAライブラリーよりゲノムDNAの全てあるいは一部として、または肝臓、腎臓、甲状腺細胞、線維芽細胞由来RNAより公知の方法により調製された相補DNAを原料として取得することが出来る。また、外来性の異常DNAは、上記の細胞または組織より得られた正常なタンパク質の翻訳領域を点突然変異誘発法により変異した翻訳領域を作製することができる。

該翻訳領域は転移動物において発現しうるDNAコンストラクトとして、前記のプロモーターの下流および所望により転写終結部位の上流に連結させる通常のDNA工学的手法により作製することができる。

受精卵細胞段階における本発明の外来性DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽

細胞および体細胞のすべてに存在するように確保される。 DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において、本発明の外来性DNAが存在することは、作出動物の後代がすべて、その胚芽細胞および体細胞のすべてに本発明の外来性DNAを保持することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞のすべてに本発明の外来性DNAを有する。

#### [0062]

本発明の外来性正常DNAを転移させた非ヒト哺乳動物は、交配により外来性 DNAを安定に保持することを確認して、該DNA保有動物として通常の飼育環 境で継代飼育することが出来る。

受精卵細胞段階における本発明の外来性DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞の全てに過剰に存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明の外来性DNAが過剰に存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の外来性DNAを過剰に有することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の外来性DNAを過剰に有する

導入DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを過剰に有するように繁殖継代することができる。

本発明の正常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、本発明の正常DNAが高発現させられており、内在性の正常DNAの機能を促進することにより最終的に本発明のタンパク質の機能亢進症を発症することがあり、その病態モデル動物として利用することができる。例えば、本発明の正常DNA転移動物を用いて、本発明のタンパク質の機能亢進症や、本発明のタンパク質が関連する疾患の病態機序の解明およびこれらの疾患の治療方法の検討を行なうことが可能である。

また、本発明の外来性正常DNAを転移させた哺乳動物は、遊離した本発明の タンパク質の増加症状を有することから、本発明のタンパク質に関連する疾患に 対する治療薬のスクリーニング試験にも利用可能である。

## [006.3]

一方、本発明の外来性異常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、交配により外来性DNAを安定に保持することを確認して該DNA保有動物として通常の飼育環境で継代飼育することが出来る。さらに、目的とする外来DNAを前述のプラスミドに組み込んで原科として用いることができる。プロモーターとのDNAコンストラクトは、通常のDNA工学的手法によって作製することができる。受精卵細胞段階における本発明の異常DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞の全てに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明の異常DNAが存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の異常DNAを有することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫は、その胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の異常DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを有するように繁殖継代することができる。

本発明の異常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、本発明の異常DNAが高発現させられており、内在性の正常DNAの機能を阻害することにより最終的に本発明のタンパク質の機能不活性型不応症となることがあり、その病態モデル動物として利用することができる。例えば、本発明の異常DNA転移動物を用いて、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症の病態機序の解明およびこの疾患を治療方法の検討を行なうことが可能である。

また、具体的な利用可能性としては、本発明の異常DNA高発現動物は、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症における本発明の異常タンパク質による正常タンパク質の機能阻害 (dominant negative作用) を解明するモデルとなる。

また、本発明の外来異常DNAを転移させた哺乳動物は、遊離した本発明のタンパク質の増加症状を有することから、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症に対する治療薬スクリーニング試験にも利用可能である。

# [0064]

また、上記2種類の本発明のDNA転移動物のその他の利用可能性として、例 えば、

- ①組織培養のための細胞源としての使用、
- ②本発明のDNA転移動物の組織中のDNAもしくはRNAを直接分析するか、 またはDNAにより発現されたタンパク質組織を分析することによる、本発明の タンパク質により特異的に発現あるいは活性化するタンパク質との関連性につい ての解析、
- ③DNAを有する組織の細胞を標準組織培養技術により培養し、これらを使用して、一般に培養困難な組織からの細胞の機能の研究、
- ④上記③記載の細胞を用いることによる細胞の機能を高めるような薬剤のスクリーニング、および
- ⑤本発明の変異タンパク質を単離精製およびその抗体作製などが考えられる。

さらに、本発明のDNA転移動物を用いて、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症などを含む、本発明のタンパク質に関連する疾患の臨床症状を調べることができ、また、本発明のタンパク質に関連する疾患モデルの各臓器におけるより詳細な病理学的所見が得られ、新しい治療方法の開発、さらには、該疾患による二次的疾患の研究および治療に貢献することができる。

また、本発明のDNA転移動物から各臓器を取り出し、細切後、トリプシンなどのタンパク質分解酵素により、遊離したDNA転移細胞の取得、その培養またはその培養細胞の系統化を行なうことが可能である。さらに、本発明のタンパク質産生細胞の特定化、アポトーシス、分化あるいは増殖との関連性、またはそれらにおけるシグナル伝達機構を調べ、それらの異常を調べることなどができ、本発明のタンパク質およびその作用解明のための有効な研究材料となる。

さらに、本発明のDNA転移動物を用いて、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症を含む、本発明のタンパク質に関連する疾患の治療薬の開発を行なうために、上述の検査法および定量法などを用いて、有効で迅速な該疾患治療薬のスクリーニング法を提供することが可能となる。また、本発明のDNA転移動物または本発明の外来性DNA発現ベクターを用いて、本発明のタンパク質が関連する疾患のDNA治療法を検討、開発することが可能である。

[0065]

(8) ノックアウト動物

本発明は、本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞および本 発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物を提供する。

すなわち、本発明は、

- (1) 本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞、
- (2) 該DNAがレポーター遺伝子(例、大腸菌由来の $\beta$ -ガラクトシダーゼ遺伝子)を導入することにより不活性化された第(1)項記載の胚幹細胞、
  - (3) ネオマイシン耐性である第(1)項記載の胚幹細胞、
  - (4) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(1)項記載の胚幹細胞、
  - (5) ゲッ歯動物がマウスである第(4)項記載の胚幹細胞、
  - (6) 本発明のDNAが不活性化された該DNA発現不全非ヒト哺乳動物、
- (7) 該DNAがレポーター遺伝子(例、大腸菌由来のβーガラクトシダーゼ遺伝子)を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの制御下で発現しうる第(6)項記載の非ヒト哺乳動物
  - (8) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(6) 項記載の非ヒト哺乳動物、
  - (9) ゲッ歯動物がマウスである第(8) 項記載の非ヒト哺乳動物、および
- (10)第(7)項記載の動物に、試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

[0066]

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞とは、該非ヒト哺乳動物が有する本発明のDNAに人為的に変異を加えることにより、DNAの発現能を抑制するか、もしくは該DNAがコードしている本発明のタンパク質の活性を実質的に喪失させることにより、DNAが実質的に本発明のタンパク質の発現能を有さない(以下、本発明のノックアウトDNAと称することがある)非ヒト哺乳動物の胚幹細胞(以下、ES細胞と略記する)をいう。

非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが用いられる。

本発明のDNAに人為的に変異を加える方法としては、例えば、遺伝子工学的 手法により該DNA配列の一部又は全部の削除、他DNAを挿入または置換させ ることによって行なうことができる。これらの変異により、例えば、コドンの読み取り枠をずらしたり、プロモーターあるいはエキソンの機能を破壊することにより本発明のノックアウトDNAを作製すればよい。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞(以下、本発明のD NA不活性化ES細胞または本発明のノックアウトES細胞と略記する)の具体 例としては、例えば、目的とする非ヒト哺乳動物が有する本発明のDNAを単離 し、そのエキソン部分にネオマイシン耐性遺伝子、ハイグロマイシン耐性遺伝子 を代表とする薬剤耐性遺伝子、あるいは1 a c Z (β-ガラクトシダーゼ遺伝子 )、cat (クロラムフェニコールアセチルトランスフェラーゼ遺伝子)を代表 とするレポーター遺伝子等を挿入することによりエキソンの機能を破壊するか、 あるいはエキソン間のイントロン部分に遺伝子の転写を終結させるDNA配列( 例えば、polyA付加シグナルなど)を挿入し、完全なメッセンジャーRNAを合 成できなくすることによって、結果的に遺伝子を破壊するように構築したDNA 配列を有するDNA鎖(以下、ターゲッティングベクターと略記する)を、例え ば相同組換え法により該動物の染色体に導入し、得られたES細胞について本発 明のDNA上あるいはその近傍のDNA配列をプローブとしたサザンハイブリダ イゼーション解析あるいはターゲッティングベクター上のDNA配列とターゲッ ティングベクター作製に使用した本発明のDNA以外の近傍領域のDNA配列を プライマーとしたPCR法により解析し、本発明のノックアウトES細胞を選別 することにより得ることができる。

#### [0067]

また、相同組換え法等により本発明のDNAを不活化させる元のES細胞としては、例えば、前述のような既に樹立されたものを用いてもよく、また公知 EvansとKaufmaの方法に準じて新しく樹立したものでもよい。例えば、マウスのES細胞の場合、現在、一般的には129系のES細胞が使用されているが、免疫学的背景がはっきりしていないので、これに代わる純系で免疫学的に遺伝的背景が明らかなES細胞を取得するなどの目的で例えば、C57BL/6マウスやC57BL/6の採卵数の少なさをDBA/2との交雑により改善したBDF $_1$ マウス(C57BL/6とDBA/2とのF $_1$ )を用いて樹立したものなども良好に

用いうる。 $BDF_1$ マウスは、採卵数が多く、かつ、卵が丈夫であるという利点に加えて、C57BL/6マウスを背景に持つので、これを用いて得られたES細胞は病態モデルマウスを作出したとき、C57BL/6マウスとバッククロスすることでその遺伝的背景をC57BL/6マウスに代えることが可能である点で有利に用い得る。

また、ES細胞を樹立する場合、一般には受精後3.5日目の胚盤胞を使用するが、これ以外に8細胞期胚を採卵し胚盤胞まで培養して用いることにより効率よく多数の初期胚を取得することができる。

また、雌雄いずれのES細胞を用いてもよいが、通常雄のES細胞の方が生殖系列キメラを作出するのに都合が良い。また、煩雑な培養の手間を削減するためにもできるだけ早く雌雄の判別を行なうことが望ましい。

ES細胞の雌雄の判定方法としては、例えば、PCR法によりY染色体上の性決定領域の遺伝子を増幅、検出する方法が、その1例としてあげることができる。この方法を使用すれば、従来、核型分析をするのに約10<sup>6</sup>個の細胞数を要していたのに対して、1コロニー程度のES細胞数(約50個)で済むので、培養初期におけるES細胞の第一次セレクションを雌雄の判別で行なうことが可能であり、早期に雄細胞の選定を可能にしたことにより培養初期の手間は大幅に削減できる。

## [0068]

また、第二次セレクションとしては、例えば、G-バンディング法による染色体数の確認等により行うことができる。得られるES細胞の染色体数は正常数の100%が望ましいが、樹立の際の物理的操作等の関係上困難な場合は、ES細胞の遺伝子をノックアウトした後、正常細胞(例えば、マウスでは染色体数が2n=40である細胞)に再びクローニングすることが望ましい。

このようにして得られた胚幹細胞株は、通常その増殖性は大変良いが、個体発生できる能力を失いやすいので、注意深く継代培養することが必要である。例えば、STO繊維芽細胞のような適当なフィーダー細胞上でLIF(1-10000U/m1)存在下に炭酸ガス培養器内(好ましくは、5%炭酸ガス、95%空気または5%酸素、5%炭酸ガス、90%空気)で約37℃で培養するなどの方法で

培養し、継代時には、例えば、トリプシン/EDTA溶液(通常0.001-0.5%トリプシン/0.1-5mM EDTA、好ましくは約0.1%トリプシン/1mM EDTA) 処理により単細胞化し、新たに用意したフィーダー細胞上に播種する方法などがとられる。このような継代は、通常1-3日毎に行なうが、この際に細胞の観察を行い、形態的に異常な細胞が見受けられた場合はその培養細胞は放棄することが望まれる。

ES細胞は、適当な条件により、高密度に至るまで単層培養するか、または細胞集塊を形成するまで浮遊培養することにより、頭頂筋、内臓筋、心筋などの種々のタイプの細胞に分化させることが可能であり [M. J. Evans及びM. H. Kaufman,ネイチャー (Nature) 第292巻、154頁、1981年;G. R. Martin プロシーディングス・オブ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.) 第78巻、7634頁、1981年;T. C. Doetschmanら、ジャーナル・オブ・エンブリオロジー・アンド・エクスペリメンタル・モルフォロジー、第87巻、27頁、1985年]、本発明のES細胞を分化させて得られる本発明のDNA発現不全細胞は、インビトロにおける本発明のタンパク質の細胞生物学的検討において有用である。

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、該動物のmRNA量を公知方法を 用いて測定して間接的にその発現量を比較することにより、正常動物と区別する ことが可能である。

該非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが用いられる。

[0069]

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、例えば、前述のようにして作製したターゲッティングベクターをマウス胚幹細胞またはマウス卵細胞に導入し、導入によりターゲッティングベクターの本発明のDNAが不活性化されたDNA配列が遺伝子相同組換えにより、マウス胚幹細胞またはマウス卵細胞の染色体上の本発明のDNAと入れ換わる相同組換えをさせることにより、本発明のDNAをノックアウトさせることができる。

本発明のDNAがノックアウトされた細胞は、本発明のDNA上またはその近 傍のDNA配列をプローブとしたサザンハイブリダイゼーション解析またはター ゲッティングベクター上のDNA配列と、ターゲッティングベクターに使用したマウス由来の本発明のDNA以外の近傍領域のDNA配列とをプライマーとしたPCR法による解析で判定することができる。非ヒト哺乳動物胚幹細胞を用いた場合は、遺伝子相同組換えにより、本発明のDNAが不活性化された細胞株をクローニングし、その細胞を適当な時期、例えば、8細胞期の非ヒト哺乳動物胚または胚盤胞に注入し、作製したキメラ胚を偽妊娠させた該非ヒト哺乳動物の子宮に移植する。作出された動物は正常な本発明のDNA座をもつ細胞と人為的に変異した本発明のDNA座をもつ細胞と人の両者から構成されるキメラ動物である。

該キメラ動物の生殖細胞の一部が変異した本発明のDNA座をもつ場合、このようなキメラ個体と正常個体を交配することにより得られた個体群より、全ての組織が人為的に変異を加えた本発明のDNA座をもつ細胞で構成された個体を、例えば、コートカラーの判定等により選別することにより得られる。このようにして得られた個体は、通常、本発明のタンパク質のヘテロ発現不全個体であり、本発明のタンパク質のヘテロ発現不全個体同志を交配し、それらの産仔から本発明のタンパク質のホモ発現不全個体を得ることができる。

卵細胞を使用する場合は、例えば、卵細胞核内にマイクロインジェクション法でDNA溶液を注入することによりターゲッティングベクターを染色体内に導入したトランスジェニック非ヒト哺乳動物を得ることができ、これらのトランスジェニック非ヒト哺乳動物に比べて、遺伝子相同組換えにより本発明のDNA座に変異のあるものを選択することにより得られる。

## [0070]

このようにして本発明のDNAがノックアウトされている個体は、交配により得られた動物個体も該DNAがノックアウトされていることを確認して通常の飼育環境で飼育継代を行なうことができる。

さらに、生殖系列の取得および保持についても常法に従えばよい。すなわち、 該不活化DNAの保有する雌雄の動物を交配することにより、該不活化DNAを 相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得しうる。得られたホモザイゴ ート動物は、母親動物に対して、正常個体1,ホモザイゴート複数になるような 状態で飼育することにより効率的に得ることができる。ヘテロザイゴート動物の 雌雄を交配することにより、該不活化DNAを有するホモザイゴートおよびヘテロザイゴート動物を繁殖継代する。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞は、本発明のDNA 発現不全非ヒト哺乳動物を作出する上で、非常に有用である。

また、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、本発明のタンパク質により 誘導され得る種々の生物活性を欠失するため、本発明のタンパク質の生物活性の 不活性化を原因とする疾病のモデルとなり得るので、これらの疾病の原因究明及 び治療法の検討に有用である。

#### [0071]

(8 a) 本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する疾病に対して治療・予防効果を有する化合物のスクリーニング方法

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、本発明のDNAの欠損や損傷など に起因する疾病に対して治療・予防効果を有する化合物のスクリーニングに用い ることができる。

すなわち、本発明は、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に試験化合物を 投与し、該動物の変化を観察・測定することを特徴とする、本発明のDNAの欠 損や損傷などに起因する疾病に対して治療・予防効果を有する化合物またはその 塩のスクリーニング方法を提供する。

該スクリーニング方法において用いられる本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳 動物としては、前記と同様のものがあげられる。

試験化合物としては、例えば、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などがあげられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

具体的には、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物を、試験化合物で処理し、無処理の対照動物と比較し、該動物の各器官、組織、疾病の症状などの変化を 指標として試験化合物の治療・予防効果を試験することができる。

試験動物を試験化合物で処理する方法としては、例えば、経口投与、静脈注射などが用いられ、試験動物の症状、試験化合物の性質などにあわせて適宜選択す

ることができる。また、試験化合物の投与量は、投与方法、試験化合物の性質などにあわせて適宜選択することができる。

例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄 膜炎、急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アル コール性肝炎,アルツハイマー病,喘息,動脈硬化,アトピー性皮膚炎,バクテ リア肺炎、膀胱がん、骨折、乳がん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん ,慢性リンパ性白血病,慢性骨髄性白血病,慢性膵炎,肝硬変,大腸がん(結腸 /直腸がん), クローン病, 痴呆, 糖尿病性合併症, 糖尿病性腎症, 糖尿病性神 経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感染症、肝不全、A型 肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹 ウイルス感染症, ホジキン病, エイズ感染症, ヒトパピローマウイルス感染症, 高カルシウム血症, 高コレステロール血症, 高グリセリド血症, 高脂血症, 感染 症,インフルエンザ感染症,インシュリン依存性糖尿病(I型),侵襲性ブドウ 状球菌感染症,悪性黒色腫,がん転移,多発性骨髄腫,アレルギー性鼻炎,腎炎 ,非ホジキン性リンパ腫,インシュリン非依存性糖尿病(II型),非小細胞肺が ん,臓器移植,骨関節炎,骨軟化症,骨減少症,骨粗鬆症,卵巣がん,骨ペーチ エット病,消化性潰瘍,末梢血管疾患,前立腺がん,逆流性食道炎,腎不全,リ ウマチ関節炎,精神分裂症,敗血症,敗血症ショック,重症全身性真菌感染症, 小細胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作 ,結核,心弁膜症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関節炎、下垂体 ホルモン分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等に対して治療・予防効 果を有する化合物をスクリーニングする場合、本発明のDNA発現不全非ヒト哺 乳動物に糖負荷処置を行ない、糖負荷処置前または処置後に試験化合物を投与し 、該動物の血糖値および体重変化などを経時的に測定する。

該スクリーニング方法において、試験動物に試験化合物を投与した場合、該試験動物の血糖値が約10%以上、好ましくは約30%以上、より好ましくは約50%以上低下した場合、該試験化合物を上記の疾患に対して治療・予防効果を有する化合物として選択することができる。

## [0072]

本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物は、上記した試験化合物 から選ばれた化合物であり、本発明のタンパク質等の欠損や損傷などによって引き起こされる疾患に対して治療・予防効果を有するので、該疾患に対する安全で 低毒性な治療・予防剤などの医薬として使用することができる。 さらに、上記スクリーニングで得られた化合物から誘導される化合物も同様に用いることができる。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸(例、無機酸、有機酸など)や塩基(例、アルカリ金属など)などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸(例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸など)との塩、あるいは有機酸(例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蓚酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸など)との塩などが用いられる。

該スクリーニング方法で得られた化合物またはその塩を含有する医薬は、前記 した本発明のタンパク質を含有する医薬と同様にして製造することができる。

このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは哺乳動物 (例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サルなど) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、該化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、該化合物を注射剤の形で通常成人(60kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量

を投与することができる。

[0073]

(8b) 本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物をスクリーニング方法

本発明は、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に、試験化合物を投与し、 レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方 法を提供する。

上記スクリーニング方法において、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物としては、前記した本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物の中でも、本発明のDNAがレポーター遺伝子を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの制御下で発現しうるものが用いられる。

試験化合物としては、前記と同様のものがあげられる。

レポーター遺伝子としては、前記と同様のものが用いられ、βーガラクトシダーゼ遺伝子(1 a c Z)、可溶性アルカリフォスファターゼ遺伝子またはルシフェラーゼ遺伝子などが好適である。

本発明のDNAをレポーター遺伝子で置換された本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物では、レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの支配下に存在するので、レポーター遺伝子がコードする物質の発現をトレースすることにより、プロモーターの活性を検出することができる。

[0074]

例えば、本発明のタンパク質をコードするDNA領域の一部を大腸菌由来のβーガラクトシダーゼ遺伝子(1 a c Z)で置換している場合、本来、本発明のタンパク質の発現する組織で、本発明のタンパク質の代わりにβーガラクトシダーゼが発現する。従って、例えば、5ーブロモー4ークロロー3ーインドリルーβーガラクトピラノシド(Xーg a 1)のようなβーガラクトシダーゼの基質となる試薬を用いて染色することにより、簡便に本発明のタンパク質の動物生体内における発現状態を観察することができる。具体的には、本発明のタンパク質欠損

マウスまたはその組織切片をグルタルアルデヒドなどで固定し、リン酸緩衝生理 食塩液(PBS)で洗浄後、X-galを含む染色液で、室温または37℃付近 で、約30分ないし1時間反応させた後、組織標本を1mM EDTA/PBS 溶液で洗浄することによって、 $\beta-$ ガラクトシダーゼ反応を停止させ、呈色を観 察すればよい。また、常法に従い、1acZをコードするmRNAを検出しても よい。

#### [0075]

上記スクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、上記した試験化合物から選ばれた化合物であり、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物である。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸(例、無機酸など)や塩基(例、有機酸など)などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸(例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸など)との塩、あるいは有機酸(例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蓚酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸など)との塩などが用いられる。

本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物またはその塩は、本発明のタンパク質の発現を促進し、該タンパク質の機能を促進することができるので、例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎、急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮膚炎、バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳がん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん、慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、慢性膵炎、肝硬変、大腸がん(結腸/直腸がん)、クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感染症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感染症、肝不全、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹ウイルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、高カルシウム血症、高プリステロール血症、高グリセリド血症

,高脂血症,感染症,インフルエンザ感染症,インシュリン依存性糖尿病(I型),侵襲性ブドウ状球菌感染症,悪性黒色腫,がん転移,多発性骨髄腫,アレルギー性鼻炎,腎炎,非ホジキン性リンパ腫,インシュリン非依存性糖尿病(II型),非小細胞肺がん,臓器移植,骨関節炎,骨軟化症,骨減少症,骨粗鬆症,卵巣がん,骨ペーチェット病,消化性潰瘍,末梢血管疾患,前立腺がん,逆流性食道炎,腎不全,リウマチ関節炎,精神分裂症,敗血症,敗血症ショック,重症全身性真菌感染症,小細胞肺がん,脊髄損傷,胃がん,全身性エリテマトーサス,一過性脳虚血発作,結核,心弁膜症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等の疾病に対する安全で低毒性な治療・予防剤などの医薬として有用である。

さらに、上記スクリーニングで得られた化合物から誘導される化合物も同様に 用いることができる。

[0076]

該スクリーニング方法で得られた化合物またはその塩を含有する医薬は、前記 した本発明のタンパク質またはその塩を含有する医薬と同様にして製造すること ができる。

このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは哺乳動物 (例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サルなど) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進する化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進する化合物を注射剤の形で通常成人(60kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg

g当たりに換算した量を投与することができる。

一方、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を阻害する化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を阻害する化合物を注射剤の形で通常成人(60kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

このように、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩をスクリーニングする上で極めて有用であり、本発明のDNA発現不全に起因する各種疾患の原因究明または予防・治療薬の開発に大きく貢献することができる。

また、本発明のタンパク質のプロモーター領域を含有するDNAを使って、その下流に種々のタンパクをコードする遺伝子を連結し、これを動物の卵細胞に注入していわゆるトランスジェニック動物(遺伝子移入動物)を作成すれば、特異的にそのタンパクを合成させ、その生体での作用を検討することも可能となる。さらに上記プロモーター部分に適当なレポータ遺伝子を結合させ、これが発現するような細胞株を樹立すれば、本発明のタンパク質そのものの体内での産生能力を特異的に促進もしくは抑制する作用を持つ低分子化合物の探索系として使用できる。

本発明の蛋白質および部分ペプチドに対する受容体は次のようにして同定することができる。生理活性ペプチドの受容体の多くは7回膜貫通型受容体であり、現在リガンドが未知の多くのオーファン受容体が報告されている。従って、これらのオーファン受容体をCHO細胞やHEK293細胞など適当な細胞に発現させてそれらに本発明の蛋白質および部分ペプチドを加えて、特異的なシグナル伝達を誘導するような細胞刺激活性を有するかどうかを調べることにより特異的な受容体を

同定することができる。またゲノムあるいはcDNAライブラリーを適当な動物細胞 に導入してそれにラジオアイソトープを標識した本発明の蛋白質あるいは部分ペ プチドを加えてその結合を調べることにより、受容体をコードする遺伝子を単離 することができる。

さらに本発明は、生理活性ペプチドをコードする遺伝子はしばしばペプチドの配列モチーフが繰り返されるという特徴を利用して、未知の生理活性ペプチドまたはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩を同定する方法、および該方法によって得られた生理活性ペプチドまたはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩なども提供する。

生理活性ペプチドの有する配列モチーフとして、具体的には、例えばRFamid e、RSamide、またはRLamide構造を有する本発明のタンパク質の特徴的な配列であるRFG(R/K)配列またはRSG(R/K)配列またはRLG(R/K)配列または該アミノ酸配列をコードする塩基配列などがあげられる。このような短いアミノ酸配列をコードしうるDNA配列は生理活性ペプチドのDNA配列以外でも偶然的にかなりの頻度で出現してくるが、このような配列が繰り返していることを特徴とする配列を探すことによりより高い確率で生理活性ペプチドをコードするDNAを見出すことができる。

より具体的には、RFG(R/K)配列またはRSG(R/K)配列またはRLG(K/R)配列または 該アミノ酸配列を含有する配列およびそれををコードする塩基配列を含有する配列をプローブとしてデータベースの検索をすることにより目的とする遺伝子を取得することができる。該プローブとしては、例えば、ペプチドの配列としてRFG(K/R)、RSG(K/R)、RLG(K/R)に対応するDNAの配列として、

RFGK: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)TT(T/C)GG(A/C/G/T)AA(A/G)-3'(配列番号:20)

RFGR: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)TT(T/C)GG(A/C/G/T)(A/C)G(A/C/G/T)-3'(配列番号: 21)

RSGK: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)(A/T)(C/G)(A/C/G/T)GG(A/C/G/T)AA(A/G)-3'(配列番号: 22)

RSGR: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)(A/T)(C/G)(A/C/G/T)GG(A/C/G/T)(A/C)G(A/C/G/T)-3'(配列番号: 2 3)

RLGK: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)(T/C)T(A/C/T/G)GG(A/C/G/T)AA(A/G)-3'(配列番号: 24)

RLGR: 5'-(C/A)G(A/C/G/T) (T/C)T(A/C/T/G)GG(A/C/G/T)(A/C)G(A/C/G/T)-3'(配列番号: 25) などがあげられる。

さらに、該配列モチーフを用いてcDNAあるいはゲノムライブラリーをスクリーニングすることにより目的とする遺伝子を取得することもできる。またジーントラッパーのように上記プローブを使って目的の遺伝子のmRNAを精製し、そのmRNAからcDNAを取得することもできる。さらに他の配列モチーフ(繰り返して遺伝子にコードされているアミノ酸配列または該アミノ酸配列をコードする塩基配列など)を用いてRFamide、RSamideまたはRLamide構造以外の生理活性ペプチドの同定にも使うことができる。

さらにRFamide、RSamideまたはRLamide構造を有するペプチドはペプチドのC末端側にRFamide、RSamideまたはRLamide構造の共通構造を有しているので、RFamide、RSamideまたはRLamide構造を含む抗体を使って、未知のRFamide、RSamideまたはRLamide構造を含む抗体を使って、未知の能である。また、RFamide、RSamideまたはRLamide構造を有するペプチドを探索することが可能である。また、RFamide、RSamideまたはRLamide構造を有するペプチドの受容体の多くは7回膜貫通型受容体である。従って、抗RFamide抗体、抗RSamide抗体または抗RLamide抗体を使って濃縮あるいは分画した動物組織抽出物をリガンドが決定していないオーファン受容体発現細胞に加えて、そのシグナル伝達を調べることにより、オーファン受容体のリガンドを決定することができる。RFamide、RSamideまたはRLamide構造を有するペプチド以外にも共通配列を有するペプチドは数多く存在するので、この方法はRFamide、RSamideまたはRLamide構造を有するペプチド以外のペプチドにも使うことができる。

# [0077]

本明細書および図面において、塩基やアミノ酸などを略号で表示する場合、IUPAC-IUB Commission on Biochemical Nomenclatureによる略号あるいは当該分野における慣用略号に基づくものであり、その例を下記する。またアミノ酸に関し光学異性体があり得る場合は、特に明示しなければL体を示すものとする。

: デオキシリボ核酸 DNA : 相補的デオキシリボ核酸 c DNA : アデニン Α : チミン Т : グアニン . G :シトシン C :イノシン T :アデニン(A)またはグアニン(G) R :チミン(T)またはシトシン(C) Y :アデニン(A)またはシトシン(C) M : グアニン (G) またはチミン (T) K : グアニン (G) またはシトシン (C) S :アデニン(A)またはチミン(T) W : グアニン(G)、グアニン(G) またはチミン(T) В : アデニン(A)、グアニン(G) またはチミン(T) D :アデニン(A)、グアニン(G) またはシトシン(C) V [0078] :リボ核酸 RNA:メッセンジャーリボ核酸 mRNA : デオキシアデノシン三リン酸 dATP : デオキシチミジン三リン酸 dTTP : デオキシグアノシン三リン酸 dGTP : デオキシシチジン三リン酸 dCTP : アデノシン三リン酸 ATP : エチレンジアミン四酢酸 EDTA

: ドデシル硫酸ナトリウム

[0079]

SDS

Gly : グリシン

Ala:アラニン

Val :バリン

Leu :ロイシン

Ile :イソロイシン

Ser : セリン

Thr :スレオニン

Суѕ :システイン

Met :メチオニン

Glu :グルタミン酸

Asp :アスパラギン酸

Lys :リジン

Arg:アルギニン

His :ヒスチジン

Phe :フェニルアラニン

Tyr : f D D D

Trp: トリプトファン

Pro :プロリン

Asn :アスパラギン

Gln :グルタミン

pGlu:ピログルタミン酸

[0080]

本願明細書の配列表の配列番号は、以下の配列を示す。

#### 〔配列番号:1〕

後述の実施例1で得られた本発明のタンパク質のアミノ酸配列(ヒト型)を示す。

[配列番号:2]

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のタンパク質をコード するDNAの塩基配列を示す。

[配列番号:3]

後述の実施例1で用いられるプライマーF5の塩基配列を示す。

〔配列番号:4〕

後述の実施例1で用いられるプライマーF6の塩基配列を示す。

〔配列番号:5〕

後述の実施例1で用いられるプライマーF1の塩基配列を示す。

[配列番号:6]

後述の実施例1で用いられるプライマーR5の塩基配列を示す。

[配列番号:7]

後述の実施例3で用いられるプライマーhR1の塩基配列を示す。

[配列番号:8]

後述の実施例3で得られた本発明のタンパク質のアミノ酸配列(ヒト型)を示す。

[配列番号:9]

配列番号:8で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のタンパク質をコード するDNAの塩基配列を示す。

[配列番号:10]

後述の実施例4で用いられるプライマーbF6の塩基配列を示す。

[配列番号:11]

後述の実施例4で用いられるプライマーbF7の塩基配列を示す。

[配列番号:12]

後述の実施例4で用いられるプライマーbR6の塩基配列を示す。

[配列番号:13]

後述の実施例4で用いられるプライマーbR7の塩基配列を示す。

[配列番号:14]

後述の実施例4で得られた本発明のタンパク質のアミノ酸配列(ウシ型)を示す。

[配列番号:15]

配列番号:14で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のタンパク質をコードするDNAの塩基配列を示す。

[配列番号:16]

後述の実施例5で用いられるプライマー r L P R 1 の塩基配列を示す。

[配列番号:17]

後述の実施例5で用いられるプライマーr LPF1の塩基配列を示す。

[配列番号18]

後述の実施例5で得られた本発明のタンパク質のアミノ酸配列(ラット型)を示す。

[配列番号19]

配列番号:18で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のタンパク質をコード するDNAの塩基配列を示す。

[配列番号20]

RFGK配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号21]

RFGR配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号22]

RSGK配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号20]

RSGR配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号20]

RLGK配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号20]

RLGR配列をコードする塩基配列を示す。

後述の実施例2で得られた形質転換体 Escherichia coli JM109/phRF1 は、 財団法人発酵研究所(IFO)に1999年3月5日から寄託番号 IFO 16265 として 寄託されている。

[0081]

【実施例】

以下に、実施例を挙げて本発明をさらに具体的に説明するが、本発明はそれに限定されるものではない。なお、大腸菌を用いての遺伝子操作法は、モレキュラー・クローニング (Molecular cloning) に記載されている方法に従った。

[0082]

実施例1 ヒト胎児脳poly(A)<sup>+</sup>RNA画分からのcDNAの合成とRT-PCR 法による生理活性ペプチドcDNAの増幅

クローンテック社より購入したヒト胎児脳 $poly(A)^+$ RNA画分 $1\mu$ gにプライマーとして0ligodTプライマー(GibcoBRL社)を加え、モロニイマウス白血病ウイルスの逆転写酵素(GibcoBRL社)により、添付パッファーを用いてcDNAを合成した。反応後の産物はフェノール:クロロホルム(1:1)で抽出し、エタノール沈殿を行った後、 $30\mu1$ のTEに溶解した。調製した $cDNA1\mu1$ を鋳型として、次の2つのプライマー(F5およびF6)を用いて、PCRによる増幅を行った。

F 5:5'-GGGCTGCACATAGAGACTTAATTTTAG-3' (配列番号:3)

F 6:5'-CTAGACCACCTCTATATAACTGCCCAT-3' (配列番号:4)

反応液の組成は、合成DNAプライマー(F5およびF6)各20pM、0.  $25\,\mathrm{mM}$  dNTPs、 $\mathrm{Ex}$  Taq DNA polymerase 0.  $5\,\mu$  1および酵素に付属のバッファー $5\,\mu$  1で、総反応溶液量は $50\,\mu$  1とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー(パーキン・エルマー)を用い $98\,\mathrm{C}\cdot 10$ 秒、 $63\,\mathrm{C}\cdot 20$ 秒、 $72\,\mathrm{C}\cdot 40$ 秒のサイクルを40回繰り返した。

さらにそのPCR産物の $1 \mu 1$ を鋳型として次の2つのプライマー(F1およびR5)を用いて、nested PCR による増幅を行った。

F1:5'-GCACATAGAGACTTAATTTTAGATTTAGAC-3'(配列番号:5)

R 5:5'-CATGCACTTTGACTGGTTTCCAGGTAT-3'(配列番号:6)

反応液の組成は、合成DNAプライマー(F1およびR5)各20pM、0.  $25\,\mathrm{mM}$  dNTPs、 $\mathrm{Ex}$  Taq DNA polymerase 0.  $5\,\mu$ 1および酵素に付属のバッファー $5\,\mu$ 1で、総反応溶液量は $50\,\mu$ 1とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー(パーキン・エルマー社)を用い $9\,8\,\mathrm{C}$ ・ $1\,0$ 秒、 $6\,0\,\mathrm{C}$ ・ $2\,0$ 秒、 $7\,2\,\mathrm{C}$ ・ $4\,0$ 秒のサイクルを $4\,0$ 回繰り返した。増幅産物の確認は1.  $2\,\mathrm{N}$ アガロース電気泳動およびエチジウムプロミド染色によって行った。

[0083]

実施例2 PCR産物のプラスミドベクターへのサブクローニングおよび挿入 c DNA部分の塩基配列の解読による新規生理活性ペプチド候補クローンの選択

実施例1で行ったPCR後の反応産物は1.2%のアガロースゲルを用いて分離し、目的とする大きさのDNA断片の増幅を確認した後、QuigenPCRpurification kit (Quiagen)を用いてDNAを回収した。TAクローニングキット(インビトロゲン社)の処方に従い、回収したDNAをプラスミドベクターPCRTM2.1へサブクローニングした。これを大腸菌JM109competent cell(宝(株))に導入して形質転換したのち、cDNA挿入断片を持つクローンをアンピシリン、IPTGおよびX-galを含むLB寒天培地中で選択し、白色を呈するクローンのみを滅菌した爪楊枝を用いて分離し、形質転換体エシェリヒア コリ (Escherichia coli) JM109/PhRF1を得た。

個々のクローンをアンピシリンを含むLB培地で一晩培養し、自動プラスミド 抽出装置(クラボウ)を用いてプラスミドDNAを調製した。調製したDNAの一部を用いてEcoRIによる切断を行い、挿入されているcDNA断片の大き さを確認した。残りのDNAの一部をさらにRNase処理、フェノール・クロロホルム抽出し、エタノール沈殿によって濃縮した。塩基配列の決定のための反応はDyeDeoxy Terminator Cycle Sequencing Kit (ABI社)を用いて行い、蛍光式自動シーケンサーを用いて解読した。得られた塩基配列の情報は、DNASIS(日立システムエンジニアリング社)を用いて行った。決定した塩基配列を [図1] に示した。

決定した塩基配列を〔図1〕をもとにホモロジー検索と配列の解析を行った結果、形質転換体E.coli J M 1 O 9 / p h R F 1 の保有するプラスミドに挿入された c D N A 断片は、新規生理活性ペプチドをコードすることが分かった。

[0084]

実施例3 ヒト胎児脳cDNAからの生理活性ペプチドcDNAのスプライシングバリアントの取得

実施例1で作製したヒト胎児脳cDNA 1 mlを鋳型として、次の二つのプライマー (F5、hR1) を用いてPCRによる増幅を行った。

F5:5'-GGGCTGCACATAGAGACTTAATTTTAG-3' (配列番号: 3) hR1:5'-CAGCTTTAGGGACAGGCTCCAGGTTTC-3' (配列番号: 7)

反応液の組成は合成プライマー(F5およびhR1)各20 pM、0.25 mM dNTPs、Ex Taq DNA polymerase 0.5 mlおよび酵素に付属のバッファーで総反応液量は50 m lとした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー(パーキンエルマー)を 用い、98℃・10秒、65℃・20秒、72℃・20秒のサイクルを40回くりかえした。増 幅産物の確認は1.2%アガロース電気泳動およびエチジウムブロミド染色によって 行った。PCR産物の増幅を確認した後、反応産物をQIA quick PCR purification Kit (Quiagen)を用いて精製し、配列決定を行った。塩基配列決定のための反応 はBigDye Deoxy Terminatoe Cycle Sequence Kit (ABI)を用いて行い、蛍光式 自動Sequencer (ABI377)を用いて解読した。得られた塩基配列の情報解析はDNA SIS (日立システムエンジニアリング)を用いて行った。その結果、実施例2で得られたcDNAと3、末端側が異なるcDNAが得られた。したがって本実施例で得られた cDNAは、実施例2で得られたcDNAは、実施例2で得られたcDNAは、実施例2で得られたcDNAは、実施例2で得られたCDNAは、実施例2で得られたCDNAのスプライシングバリアントである事が分かった。決定した塩基配列(配列番号:9)と予測されるアミノ酸の配列(配列番号:8)を [図3]に示す。

[0085]

実施例4 ウシ視床下部poly(A)<sup>+</sup>RNAからの生理活性ペプチドcDNAの取得 ウシ視床下部poly(A)<sup>+</sup>RNAからのウシ型生理活性ペプチドcDNAの取得はMaratho n cDNA Amplification Kit (Clontech) を用いて行った。Kitに添付のマニュア ルにしたがって作製した牛視床下部cDNAを鋳型として、次の4つのプライマー(bF6、bF7、bR6、bR7)を合成し、Kit添付のAP1、AP2の二種類のプライマーと組 み合わせてPCRによる増幅を行った。

bF6:5'-GCCTAGAGGAGATCTAGGCTGGGAGGA-3'(配列番号:10)

bF7:5'-GGGAGGAACATGGAAGAAGGAGC-3'(配列番号:11)

bR6:5'-GATGGTGAATGCATGGACTGCTGGAGC-3'(配列番号:12)

bR7:5'-TTCCTCCCAAATCTCAGTGGCAGGTTG-3'(配列番号:13)

5'側 (N末領域) の増幅のために、まず一回目のPCR反応を合成プライマー (bR 6とAP1) を用いて行った。各プライマー 20pMと0,25mMdNTPs、Klen Taq DNA pol

ymerase 0.5mlおよび酵素に付属のバッファーで総反応液量は25mlとした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー(パーキンエルマー)を用い、98度10秒、72度2分のサイクルを5回、続いて98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを5回、98℃・10秒、68℃・2分30秒のサイクルを25回くりかえした。次にその一回目のPCR反応液を10倍に希釈し、その1mlを鋳型にして(bR7とAP2)プライマーにて二回目のPCRを行った。各プライマー 20pMと0,25mMdNTPs、Kien Taq DNA polymera se 0.5mlおよび酵素に付属のバッファーで総反応液量は25mlとした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー(パーキンエルマー)を用い、98℃・10秒、72℃・2分のサイクルを5回、続いて98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを5回、98℃・10秒、68℃・2分30秒のサイクルを35回くりかえした。

3'側 (C末領域)の増幅のために、まず一回目のPCR反応を合成プライマー(bF 6とAP1) を用いて行った。各プライマー 20pMと0,25mMdNTPs、Klen Taq polymer ase 0.5mlおよび酵素に付属のバッファーで総反応液量は25mlとした。増幅のた めのサイクルはサーマルサイクラー(パーキンエルマー)を用い、98℃・10秒、 72℃・2分のサイクルを5回、続いて98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを5回、9 8℃・10秒、68℃・2分30秒のサイクルを25回くりかえした。次にその一回目のP CR反応液を10倍に希釈し、その1mlを鋳型にして(bF7とAP2)プライマーにて二 回目のPCRを行った。各プライマー 20pMと0,25mMdNTPs、Klen Taq DNA polymera se 0.5mlおよび酵素に付属のバッファーで総反応液量は25mlとした。増幅のため のサイクルはサーマルサイクラー(パーキンエルマー)を用い、98℃・10秒、72 ℃・2分のサイクルを5回、続いて98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを5回、98 ℃・10秒、68℃・2分30秒のサイクルを35回くりかえした。5'側、3'側それぞれ の増幅産物の確認は1.2%アガロース電気泳動およびエチジウムブロミド染色によ って行った。PCR産物の増幅を確認した後、反応産物をQIA quick PCR purificat ion Kit (Quiagen) を用いて精製し、配列決定を行った。塩基配列決定のための 反応はBig Dye Deoxy Terminator Cycle Sequence Kit (ABI) を用いて行い、蛍 光式自動Sequencer (ABI377) を用いて解読した。

得られた塩基配列の情報解析はDNASIS(日立システムエンジニアリング)を用いて行った。決定した塩基配列(配列番号:15)と予測されるアミノ酸の配列

(配列番号:14)を〔図4〕に示す。

[0086]

実施例5 ラット脳poly(A)+RNAからの生理活性ペプチドcDNAの取得

ラット脳 $poly(A)^+RNA$ からのラット型生理活性ペプチドcDNAの取得はMarathon cDNA Amplification Kit (Clontech) を用いて行った。Kitに添付のマニュアル にしたがって作製したラット脳cDNAを鋳型として、次の2つのプライマー

rLPR1:5'-CCCTGGGGCTTCTTCTGTCTTCTATGT-3'(配列番号:16)

rLPF1: 5'-AGCGATTCATTTTATTGACTTTAGCA-3'(配列番号:17)

を合成し、Kit添付のAP1, AP2の二種類のプライマーと組み合わせてPCRによる増幅を行った。

3'側 (C末領域) の増幅のために、まず一回目のPCR反応をrLPF1とAP1のプライマーセットを用いて行った。反応液組成は5'側 (N末領域) の増幅の場合と同様とした。増幅のためのサイクルは、98℃・10秒、72℃・2分のサイクルを5回、続いて98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを5回、98℃・10秒、65度20秒、72度2分のサイクルを25回くりかえした。次にその一回目のPCR反応液を60倍に希釈し、その1m1を鋳型にしてrLPF1とAP2プライマーにて二回目のPCRを行った。反応液組成は一回目のPCRと同様とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー (パーキンエルマー)を用い、98℃・10秒、72℃・2分のサイクルを5回、続いて98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを5回、続いて98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを5回、65℃・20秒、72℃・

2分のサイクルを38回くりかえした。5'側、3'側それぞれの増幅産物の確認は1.2%アガロース電気泳動およびエチジウムブロミド染色によって行った。PCR産物バンドをQIA quick Gel Extraction Kit (Quiagen)を用いて精製し、配列決定を行った。塩基配列決定は実施例3と同様の方法で行った。決定した塩基配列(配列番号:19)と予測されるアミノ酸の配列(配列番号:18)を〔図5〕に示す。

[0087]

#### 【発明の効果】

本発明のタンパク質などは、例えば、神経細胞刺激活性などを有するため、神経疾患治療薬などとして使用することができる。また、本発明のタンパク質は、本発明のタンパク質の活性を促進もしくは阻害する化合物またはその塩のスクリーニングのための試薬として有用であり、スクリーニングによって得られる化合物は神経疾患の予防・治療剤として期待される。さらに、本発明のタンパク質に対する抗体は、本発明のタンパク質を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のタンパク質の定量などに使用することができる。

[0088]

#### 【配列表】

[Sequence Listing]

<110> Takeda Chemical Industries, Ltd.

<120> Novel Protein and its DNA

<130> A98040

<150> JP 11-060030

<151> 1999-03-08

<160> 19

<210> 1

⟨211⟩ 180

<212> PRT

<213> Human

<400> 1

Met	Glu	Ile	Ile	Ser	Ser	Lys	Leu	Phe	Ile	Leu	Leu	Thr	Leu	Ala	Thr
1				5					10					15	
Ser	Ser	Leu	Leu	Thr	Ser	Asn	Ile	Phe	Cys	Ala	Asp	Glu	Leu	Val	Met
		-	20					25					30		
Ser	Asn	Leu	His	Ser	Lys	Glu	Asn	Tyr	Asp	Lys	Tyr	Ser	Glu	Pro	Arg
		35					40					45			
Gly	Tyr	Pro	Lys	Gĺy	Glu	Arg	Ser	Leu	Asn	Phe	Glu	Glu	Leu	Lys	Asp
	50					55		-			60				
Trp	Gly	Pro	Lys	Asn	Val	Ile	Lys	Met	Ser	Thr	Pro	Ala	Val	Asn	Lys
65					70					<b>7</b> 5					80
Met	Pro	His	Ser	Phe	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu	Arg	Phe	Gly	Arg	Asn	Val
				85					90					95	
Gln	Glu	Glu	Arg	Ser	Ala	Gly	Ala	Thr	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu	Arg	Ser
			100					105					110		
Gly	Arg	Asn	Met	Glu	Val	Ser	Leu	Val	Arg	Arg	Val	Pro	Asn	Leu	Pro
		115					120					125			
Gln	Arg	Phe	Gly	Arg	Thr	Thr	Thr	Ala	Lys	Ser	Val	Cys	Arg	Met	Leu
	130					135					140				
Ser	Asp	Leu	Cys	Gln	Gly	Ser	Met	His	Ser	Pro	Cys	Ala	Asn	Asp	Leu
145					150					155					160
Phe	Tyr	Ser	Met	Thr	Cys	Gln	His	Gln	Glu	Ile	Gln	Asn	Pro	Asp	Gln
				165					170					175	
Lys	Gln	Ser	Arg												
			180												
<21	0> 2														
<21	1> 5	40													
<b>&lt;21</b>	2> D	NA													
<21	3> H	uman													
<b>ZA</b> 0	<b>05</b> 2														

ATGGAAATTA TTTCATCAAA ACTATTCATT TTATTGACTT TAGCCACTTC AAGCTTGTTA	60
ACATCAAACA TTTTTTGTGC AGATGAATTA GTGATGTCCA ATCTTCACAG CAAAGAAAAT	Γ 120
TATGACAAAT ATTCTGAGCC TAGAGGATAC CCAAAAGGGG AAAGAAGCCT CAATTTTGAG	G 180
GAATTAAAAG ATTGGGGACC AAAAAATGTT ATTAAGATGA GTACACCTGC AGTCAATAAA	A 240
ATGCCACACT CCTTCGCCAA CTTGCCATTG AGATTTGGGA GGAACGTTCA AGAAGAAAGA	A 300
AGTGCTGGAG CAACAGCCAA CCTGCCTCTG AGATCTGGA AGAAATATGGA GGTGAGCCTC	360
GTGAGACGTG TTCCTAACCT GCCCCAAAGG TTTGGGAGAA CAACAACAGC CAAAAGTGTG	2 420
TGCAGGATGC TGAGTGATTT GTGTCAAGGA TCCATGCATT CACCATGTGC CAATGACTT	A 480
TTTTACTCCA TGACCTGCCA GCACCAAGAA ATCCAGAATC CCGATCAAAA ACAGTCAAGG	G 540
⟨210⟩ 3	
⟨211⟩ 27	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
⟨220⟩	
⟨223⟩	
⟨400⟩ 3	
GGGCTGCACA TAGAGACTTA ATTTTAG	37
⟨210⟩ 4	
⟨211⟩ 27	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
<220>	
⟨223⟩	
<400> 4	
CTAGACCACC TCTATATAAC TGCCCAT	37
<210> 5	
⟨211⟩ 30	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	

<220>														
(223)														
<400> 5														
GCACATAGAG ACTTAATTTT AGATTTAGAC	30													
<210> 6														
<211> 27														
<212> DNA														
<213> Artifical Sequence														
<220>														
<223><400> 6														
(400> 6 CATGCACTTT GACTGGTTTC CAGGTAT														
CATGCACTTT GACTGGTTTC CAGGTAT														
<210> 7														
<211> 27														
<212> DNA														
<213> Artifical Sequence														
<220>														
⟨223⟩														
<400> 7														
CAGCTTTAGG GACAGGCTCC AGGTTTC	27													
⟨210⟩ 8														
⟨211⟩ 196														
<212> PRT														
<213> Human														
<400> 8														
Met Glu Ile Ile Ser Ser Lys Leu Phe Ile Leu Leu Thr Leu Ala Thr														
1 5 10 15														
Ser Ser Leu Leu Thr Ser Asn Ile Phe Cys Ala Asp Glu Leu Val Met														
20 25 30														

Ser	Asn	Leu	His	Ser	Lys	Glu	Asn	Tyr	Asp	Lys	Tyr	Ser	Glu	Pro	Arg
		35					40					45			
Gly	Tyr	Pro	Lys	Gly	Glu	Arg	Ser	Leu	Asn	Phe	Glu	Glu	Leu	Lys	Asp
	50					55					60				
Trp	Gly	Pro	Lys	Asn	Val	Ile	Lys	Met	Ser	Thr	Pro	Ala	Val	Asn	Lys
65					70					75					80
Met	Pro	His	Ser	Phe	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu	Arg	Phe	Gly	Arg	Asn	Val
				85					90					95	
Gln	Glu	Glu	Arg	Ser	Ala	Gly	Ala	Thr	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu	Arg	Ser
			100					105					110		
Gly	Arg	Asn	Met	Glu	Val	Ser	Leu	Val	Arg	Arg	Val	Pro	Asn	Leu	Pro
		115					120					125			
Gln	Arg	Phe	Gly	Arg	Thr	Thr	Thr	Ala	Lys	Ser	Val	Cys	Arg	Met	Leu
	130					135					140				
Ser	Asp	Leu	Cys	Gln	Gly	Ser	Met	∄is	Ser	Pro	Cys	Ala	Asn	Asp	Leu
145	•				150					155					160
Phe	Tyr	Ser	Met	Thr	Cys	Gln	His	G1n	Glu	Ile	Gln	Asn	Pro	Asp	Gln
				165					170					175	
Lys	Gln	Ser	Arg	Arg	Leu	Leu	Phe	Lys	Lys	Ile	Asp	Asp	Ala	Glu	Leu
			180					185					190	)	
Lys	Gln	Glu	Lys	<b>.</b>											
		195	j												
<21	0> 9	)	•												
<21	1> 5	88													
<21	.2> I	ONA													
<21	.3> I	luma:	1			-									
<40	<400> 9														
ATO	GAA	ATTA	TTTC	CATCA	AAA A	CTAT	TCAT	TT T	TATTO	GACTI	TAC	GCCA	CTTC	AAGO	CTTGTTA 60
ACA	TCA	AACA	TTT	TTGT	rgc A	GATO	GAATI	CA G	GAT	STCC	A ATO	CTTC	ACAG	CAA	AGAAAAT 120

TATGACAAAT ATTCTGAGCC TAGAGGATAC CCAAAAGGGG AAAGAAGCCT CAATTTTGAG	G 180
GAATTAAAAG ATTGGGGACC AAAAAATGTT ATTAAGATGA GTACACCTGC AGTCAATAA	A 240
ATGCCACACT CCTTCGCCAA CTTGCCATTG AGATTTGGGA GGAACGTTCA AGAAGAAAG.	A 300
AGTGCTGGAG CAACAGCCAA CCTGCCTCTG AGATCTGGAA GAAATATGGA GGTGAGCCT	C 360
GTGAGACGTG TTCCTAACCT GCCCCAAAGG TTTGGGAGAA CAACAACAGC CAAAAGTGT	C 420
TGCAGGATGC TGAGTGATTT GTGTCAAGGA TCCATGCATT CACCATGTGC CAATGACTT	A 480
TTTTACTCCA TGACCTGCCA GCACCAAGAA ATCCAGAATC CCGATCAAAA ACAGTCAAG	G 540
AGACTGCTAT TCAAGAAAAT AGATGATGCA GAATTGAAAC AAGAAAAA	588
<210> 10	
⟨211⟩ 27	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
⟨220⟩	
⟨223⟩	
<400> 10	
GCCTAGAGGA GATCTAGGCT GGGAGGA	27
⟨210⟩ 11	
⟨211⟩ 27	
<212> DNA	
(213) Artifical Sequence	
<220>	
⟨223⟩	
<400> 11	
GGGAGGAACA TGGAAGAAGA AAGGAGC	27
<210> 12	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
⟨220⟩	

<b>&lt;</b> 22	3>														
<40	0> 1	2													
GAT	GGTG	AAT	GCAT	GGAC	TG C	TGGA	GC								27
<b>&lt;</b> 21	<210> 13														
<b>&lt;</b> 21	<211> 27														
<21	<212> DNA  (812) Antifical Samuelas														
<b>&lt;21</b>	<213> Artifical Sequence														
<22	<220>														
<b>&lt;22</b>	<223>														
<40	<400> 13 TECTTCCAA ATCTCACTCC CACCTTC														
TTC	TTCCTCCCAA ATCTCAGTGG CAGGTTG 27														
<b>&lt;</b> 21	<210> 14														
<b>&lt;21</b>	<211> 196														
<b>&lt;21</b> 2	<212> PRT														
<21	3> B	ovin	е												
<40	0> 14	4													
Met	Glu	Ile	He	Ser	Leu	Lys	Arg	Phe	He	Leu	Leu	Met	Leu	Ala	Thr
1				5					10					15	
Ser	Ser	Leu	Leu	Thr	Ser	Asn	Ile	Phe	Cys	Thr	Asp	Glu	Ser	Arg	Met
			20					25					30		
Pro	Asn	Leu	Tyr	Ser	Lys	Lys	Asn	Tyr	Asp	Lys	Tyr	Ser	Glu	Pro	Arg
		35					40					45			
Gly	Asp	Leu	Gly	Trp	Glu	Lys	Glu	Arg	Ser	Leu	Thr	Phe	Glu	Glu	Val
	50					55					60				
Lys	Asp	Trp	Ala	Pro	Lys	He	Lys	Met	Asn	Lys	Pro	Val	Val	Asn	Lys
65					70					75					80
Met	Pro	Pro	Ser	Ala	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu	Arg	Phe	Gly	Arg	Asn	Met
				85					90					95	

Glu Glu Glu Arg Ser Thr Arg Ala Met Ala His Leu Pro Leu Arg Leu

	100		105		110		
Gly Lys Asn	Arg Glu A	sp Ser Le	u Ser Arg	Trp Val	Pro Asn	Leu Pro	
115		12	0		125		
Gln Arg Phe	Gly Arg T	hr Thr Th	r Ala Lys	Ser Ile	Thr Lys	Thr Leu	
130		135		140			
Ser Asn Leu	Leu Gln G	ln Ser Me	t His Ser	Pro Ser	Thr Asn	Gly Leu	
145	1	50		155		160	
Leu Tyr Ser	Met Ala C	ys Gln Pr	o Gln Glu	ı Ile Gln	Asn Pro	Gly Gln	
	165		170	)		175	
Lys Asn Leu	Arg Arg A	rg Gly Ph	e Gln Lys	lle Asp	Asp Ala	Glu Leu	
	180		185		190	ı	
Lys Gln Glu	Lys						
195							
<210> 15							
⟨211⟩ 588							
<212> DNA							
<213> Bovino	e						
<b>&lt;400&gt;</b> 15							
<210> 15							
<211> 588							
<212> DNA							
<213> Bovin	e						
<400> 15							
ATGGAAATTA	TTTCATTAAA	ACGATTC	TTATT	GATGT TAG	CCACTTC	AAGCTTGTTA	60
ACATCAAACA	TCTTCTGCAC	AGACGAAT	CA AGGAT	GCCCA ATC	TTTACAG	CAAAAGAAT	120
TATGACAAAT	ATTCCGAGCC	TAGAGGAC	AT CTAGG	CTGGG AGA	AAGAAAG	AAGTCTTACT	180
TTTGAAGAAG	TAAAAGATTG	GGCTCCA	AA ATTAA	GATGA ATA	AACCTGT	AGTCAACAAA	240
ATGCCACCTT	CTGCAGCCAA	CCTGCCAC	CTG AGATT	TGGGA GGA	ACATGGA	AGAAGAAAGG	300
AGCACTAGGG	CGATGGCCCA	CCTGCCT	TG AGACT	CGGAA AAA	ATAGAGA	GGACAGCCTC	360

TCCAGATGGG T	CCCAAATC	T GCCC	CAGAGG	TTTGGAAGA	A CAACA	ACAGC	CAAAAC	CATT	420
ACCAAGACCC T	TGAGTAATT	T GCTC	CAGCAG	TCCATGCAT	TT CACC	ATCTAC	CAATGO	GCTA	480
CTCTACTCCA 7	rggcctgcc	A GCCC	CAAGAA	ATCCAGAA	C CTGG	ГСАААА	GAACC	ΓAAGG	540
AGACGGGGAT 7	CCAGAAAA	T AGAT	GATGCA	GAATTGAA	AC AAGA	AAAA			588
<210> 16									
⟨211⟩ 27									
<212> DNA									
<213> Artif	ical Sequ	ence							
<220>									
⟨223⟩									
<400> 16									
CCCTGGGGCT	TCTTCTGT	CT TCT	ATGT					27	
<210> 17									
<211> 26									
<212> DNA									
<213> Artif	ical Sequ	uence							
<220>									
⟨223⟩									
<400> 17									
AGCGATTCAT	TTTATTGA	CT TTA	GCA					26	
<210> 18									
⟨211⟩ 203									
<212> PRT			•						
<213> Rat									
<400> 18									
Met Glu Ile	e Ile Ser	Ser L	ys Arg	Phe Ile	Leu Leu	Thr L	eu Ala,	Thr	
1	5			10			15		
Ser Ser Ph	e Leu Thr	Ser A	sn Thr	Leu Cys	Ser Asp			Met	
	20			25		3	30		

Pro	His	Phe	His	Ser	Lys	Glu	Gly	Tyr	Gly	Lys	Tyr	Tyr	Gln	Leu	Arg	
		35					40					45				
Gly	Ile	Pro	Lys	Gly	Val	Lys	Glu	Arg	Ser	Val	Thr	Phe	Gln	Glu	Leu	
	50					55					60					
Lys.	Asp	Trp	Gly	Ala	Lys	Lys	Asp	Ile	Lys	Met	Ser	Pro	Ala	Pro	Ala	
65					70					75					80	
Asn	Lys	Val	Pro	His	Ser	Ala	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu	Arg	Phe	Gly	Arg	
				85					90					95		
Asn	Ile	Glu	Asp	Arg	Arg	Ser	Pro	Arg	Ala	Arg	Ala	Asn	Met	Glu	Ala	
	,		100					105					110			
Gly	Thr	Met	Ser	His	Phe	Pro	Ser	Leu	Pro	Gln	Arg	Phe	Gly	Arg	Thr	
		115	ı				120					125				
Thr	Ala	Arg	Arg	Ile	Thr	Lys	Thr	Leu	Ala	Gly	Leu	Pro	Gln	Lys	Ser	
	130	)				135					140	)				
Leu	His	Ser	Leu	Ala	Ser	Ser	Glu	ı Ser	Leu	Tyr	Ala	Met	Thr	Arg	Gln	
145					150	)				155	i				160	
His	Glı	ı Glu	ı Ile	e Glr	Sei	Pro	Gly	y Glr	Glu	Gln	Pro	Arg	g Lys	s Arg	y Val	
				165	5				170	)				175	5	
Phe	Th	r Glu	u Thi	r Asj	AS)	p Ala	a Gla	u Arg	g Lys	Glr	ı Gl	u Ly:	s Ile	e Gl	y Asn	
			180	)				18	5				190	)		
Leu	ı Gl:	n Pr	o Va	l Le	u Gl	n Gl	y A1:	a Me	t Lys	s Lei	u					
		19	5				20	0								
<b>&lt;2</b> ]	10>	19														
<b>&lt;2</b> 2	11>	609														
<b>&lt;2</b> :	12>	DNA														
<2	13>	Rat														
<4	00>	19														
AT	GGAA	ATTA	TTT	CATO	AAA	GCGA	TTCA	T TT	TATT	GACT	T TA	GCAA	CTTC	AAG	CTTCTTA	60
															AGAAGGT	120

TATGGAAAAT ATTACCAGCT GAGAGGAATC CCAAAAGGGG TAAAGGAAAG AAGTGTCACT	180
TTTCAAGAAC TCAAAGATTG GGGGGCAAAG AAAGATATTA AGATGAGTCC AGCCCCTGCC	240
AACAAAGTGC CCCACTCAGC AGCCAACCTT CCCCTGAGGT TTGGGAGGAA CATAGAAGAC	300
AGAAGAAGCC CCAGGGCACG GGCCAACATG GAGGCAGGGA CCATGAGCCA TTTTCCCAGC	360
CTGCCCCAAA GGTTTGGGAG AACAACAGCC AGACGCATCA CCAAGACACT GGCTGGTTTG	420
CCCCAGAAAT CCCTGCACTC CCTGGCCTCC AGTGAATCGC TCTATGCCAT GACCCGCCAG	480
CATCAAGAAA TTCAGAGTCC TGGTCAAGAG CAACCTAGGA AACGGGTGTT CACGGAAACA	540
GATGATGCAG AAAGGAAACA AGAAAAAATA GGAAACCTCC AGCCAGTCCT TCAAGGGGCT	600
ATGAAGCTG	609
<210> 20	
<b>⟨211⟩ 12</b>	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
<220>	
⟨223⟩	
<400> 20	
MGNTTYGGNA AR	12
⟨210⟩ 21	
⟨211⟩ 12	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
⟨220⟩	
⟨223⟩	
<400> 21	
MGNTTYGGNM GN	12
<210> 22	
<211> 12	
<212> DNA	
(213) Artifical Sequence	

<220>	
⟨223⟩	
<400> 22	
MGNWSNGGNA AR	12
<210> 23	
<211> 12	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
<220>	
<223>	
<400> 23	
MGNWSNGGNM GN	12
<210> 24	
<211> 12	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
⟨220⟩	
⟨223⟩	
<400> 24	
MGNYTNGGNA AR	12
<210> 25	
⟨211⟩ 12	
<212> DNA	
<213> Artifical Sequence	
<220>	
<223>	
<400> 25	
MGNYTNGGNM GN	12

#### [0089]

#### 【図面の簡単な説明】

- 【図1】実施例1で得られた本発明のタンパク質(ヒト型)をコードするDNA の塩基配列および該塩基配列から推定されるアミノ酸配列を示す。
- 【図2】本発明のタンパク質の疎水性プロットを示す図を示す。
- 【図3】実施例3で得られた本発明のタンパク質(ヒト型)をコードするDNAの塩基配列および該塩基配列から推定されるアミノ酸配列を示す。
- 【図4】実施例4で得られた本発明のタンパク質(ウシ型)をコードするDNAの塩基配列および該塩基配列から推定されるアミノ酸配列を示す。
- 【図5】実施例5で得られた本発明のタンパク質(ラット型)をコードするDNAの塩基配列および該塩基配列から推定されるアミノ酸配列を示す。
- 【図6】実施例3、4、5で得られた本発明の蛋白質のアミノ酸配列の比較を示す。

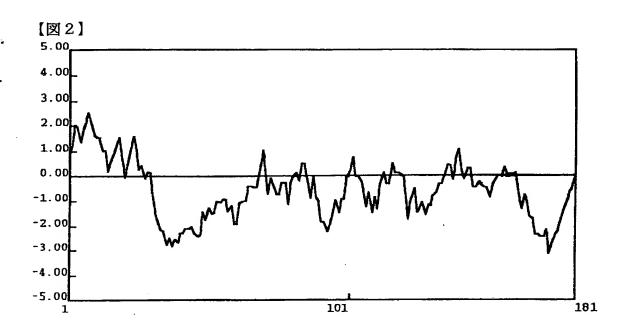
## 【書類名】図面

# 【図1】

F 12.																		
			9			18			27			36			45			54
5'	ATG	GAA	TTA	TTA	TCA	TCA	AAA	CTA	TTC	TTA	ATT	TTG	ACT	TTA	GCC	ACT	TCA	AGC
	Met	Glu	Ile	Ile	Ser	Ser	Lys	Leu	Phe	Ile	Leu	Leu	Thr	Leu	Ala	Thr	Ser	Ser
						72			81			90			99			108
	TTG	тта	63 ACA	TCA	AAC		TTT	TGT		GAT	GAA		GTG	ATG		AAT	CIT	
	Leu	Leu	Thr	ser	Asn	Ile	Phe	Cys	Ala	Asp	GIU	Leu	vaı	mec	261	Asn	Leu	urs
			117			126			135			144			153		000	162
	AGC	AAA	GAA	AAT	TAT	GAC	AAA	TAT	TCT	GAG	CCI	AGA	GGA	TAC	CCA	AAA		GAA
	Ser	Lys	Glu	Asn	Tyr	Asp	Lys	Tyr	Ser	Glu	Pro	Arg	Gly	Tyr	Pro	Lys	Gly	Glu
			171			180			189			198			207			216
	AGA	AGC	CIC	AAT	TTT	GAG	GAA	TTA	AAA	GAT	TGG		CCA	AAA	AAT	GTT	ATT	AAG
																Val		
	Arg	ser	Leu	ASU	PIE	GIU	GIU	nea	БÃЗ	ωp	11P	OLY						
			225	~~	~~	234	2 200	222	243	CC)	CNC	252	יחייני	ccc	261	TTG	CCA	270 TTG
							·											
	Met	Ser	Thr	Pro	Ala	Val	aeA	Lys	Met	Pro	His	Ser	Phe	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu
			279			288			297			306			315			324
	AGA	TTT	GGG	AGG	AAC	GIT	CAA			AGA	AGT	CCT	GGA	GCA	ACA	GCC	AAC	CIG
	Arm	Dhe	Glv	Ara	Asn	Val	Gln		Glu	Arq	Ser	Ala	Gly	Ala	Thr	Ala	Asn	Leu
	my	1110											-					378
	CCIT	CTC:	333	ay Tr	CCA	342 AGA	таа	ATYS	351 GAG	GTG	AGC	360 CTC	GTG	AGA	369 CGT	GIT	CCT	
	Pro	Leu	Arg	Ser	Gly	Arg	Asn	Met	Glu	Val	Ser	Leu	Val	Arg	Arg	Val	Pro	ASD
			387			396			405			414			423			432
	CTG	ccc	CAA	AGG	TTT	GGG	AGA	ACA	ACA	ACA	GCC	AAA	AGI	GIC	TGC	AGG	ATG	CIG
	Leu	Pro	Gln	λrg	Phe	Gly	Arg	Thr	Thr	Thr	Ala	Lys	Ser	Val	Cys	Arg	Met	Leu
			441			450			459			468			477			486
	AGT	GAT	TIG	TGT	CAA	GGA	TCC	ATG	CAT	TCA	CCA		GCC	AAT		TTA	TTT	TAC
																Leu		
	Ser	Asp	Leu	Cys	Gin	GIY	Ser	FACE	птэ	<i>3</i> C1	FIO	Cyc	**					
			495		~~~	504	<b>~</b>	<i>~</i>	513	CNC	a am	522	CATT	ሮል አ	531 444	CAG	ביץים ביץים	540 AGG
																CAG		
	Ser	Met	Thr	Cys	Gln	His	Gl.n	G].u	Ile	Gln	Asn	Pro	Asp	Gln	ràa	Gln	Ser	Arg

TAA 3

\*\*\*



【図3】

I IZ	A O 1																	
5'	ATĠ	gaa	9 TTA	TTA	TCA	18 TCA	AAA	CTA	27 <b>TTC</b>	TTA	TTA	36 TTG	ACT			ACT	TCA	54 AGC
	Met	Glu	Ile	Ile	Ser	Ser	Lys	Leu	Phe	Ile	Leu	Leu	Thr	Leu	Ala	Thr	Ser	Ser
	TTG	TTA	63 ACA	TCA	AAC	72 ATT	TTT	TGT	81 GCA	GAT	GAA	90 TTA	GTG	ATG	99 TCC	AAT	CTT	108 CAC
																Asn		
	XCC	מממ	117 GAA	ልልጥ	ጥልጥ	126 GAC	222	ጥልጥ	135 TCT	GAG	CCT	144 AGA	GGA	TAC	153 CCA	AAA	GGG	162 GAA
	Ser	Lys	Glu	Asn	Тут	Asp	Lys	Tyr	Ser	Glu	Pro		Gly	Tyr		Lys	Gly	
			171			180			189			198			207			216
	AGA	AGC	CTC	TAA	TIT	GAG	GAA	ALL	AAA	GAT	TGG	GGA	CCA	AAA	AAT.	GIT	WII.	AAG
	Arg	Ser	Leu	Asn	Phe	Glu	Glu	Leu	Lys	Asp	Trp	Gly	Pro	Lys	Asn	Val	Ile	Lys
			225			234			243			252			261			270
	ATG	AGT	ACA	CCT	GCA	GTC	AAT	AAA	ATG	CCA	CAC	TCC	TIC	GCC	AAC	TTG	CCA	TIG
	Met	Ser	Thr	Pro	Ala	Val	Asn	Lys	Met	Pro	His	Ser	Phe	Ala	ASD	Leu	Pro	Leu
			279			288			297			306			315			324
	λCA	بلعلمك	CCC	AGG	AAC		CAA	GAA		AGA	AGT		GGA	GCA			AAC	CTG
	Arg	Phe	Gly	Arg	Asn	Val	Gln	Glu	Glu	Arg	Ser	Ala	СĵÀ	Ala	Thr	Ala	Asn	Leu
			333			342			351			360			369			378
	CCT	CTG	AGA	TCT	GGA	AGA	AAT	ATG	GAG	GTG	AGC	CIC	GTG	AGA	CGT	GTT	CCT	AAC
												T	5707	A			Dro	Acm
	Pro	Leu		Ser	GIÀ		Asn	Met	405	var	ser	1.eu 414	vaı	Arg	423		FIU	Asn 432
	corc	~~	387	MCC	بلملعك	396	ACA	ACA		ACA	GCC		AGT	GTC			ATG	CIG
	Leu	Pro	Gln	Arg	Phe	Gly	Arg	Thr	Thr	Thr	Ala	Lys	Ser	Val	Cys	Arg	Met	Leu
			441			450			459			468			477			486
	AGT	GAT	TIG	TGT	CAA	GGA	TCC	ATG	CAT	TCA	CCA	TGT	GCC	AA'I'	GAC	TTA	777	TAC
		7		~~~	Cla	Clar	Cor	Mot	Wie	Ser	Dro	Cvs	Δla	Δsn	Aso	Leu	Phe	Tyr
	Ser	, ASD		Cys	GIII	504	Ser	PEC	513	201	•••	522			531			540
	m/c	איזויב	495	akta,	CAG		CAA	GAA		CAG	ААТ		GAT	CAA			TCA	AGG
	Ser	Met	Thr	Cys	Gln	His	Gln	Glu	Ile	Gln	Asn	Pro	Asp	Gln	Lys	Gln	Ser	Arg
			549			558			567			576			585			_
	AGA	CTG	CTA	TIC	AAG	AAA	ATA	GAT	GAT	GCA	GAA	TTG	AAA	CAA	GAA	. AAA	TAA	3'
											~7						***	
	Arg	Leu	Leu	Phe	Lys	Lys	Ile	Asp	Asp	Ala	GIU	Leu	цуs	GIN	GIU	Lys		

【図	4]																	
5'	ATG	GAA	9 TTA	TTA	TCA	18 TTA	AAA	CGA	27 TTC	TTA	TTA	36 TTG	ATG	TTA	45 GCC	ACT	TCA	54 AGC
				 Ile														
	•		63			72			81			90			99	,	cerror.	108
				TCA														
	Leu	Leu	Thr	Ser	Asn	Ile	Phe	Сув	Thr	Asp	Glu	Ser	Arg	Met	Pro	Asn	Leu	Тут
			117	TAA	mam.	126	333	መጸጥ	135	CAC	سب	144 ACA	CCA	ТАЭ	153 CTA	GGC	TGG	162 GAG
	Ser	Lys	Lys	naA	Tyr	Asp	Lys	Tyr	Ser	Glu	Pro	Arg	Gly	qaA	Leu	Gly	Trp	Glu
			171			180		~3.5	189	CTT3	***	198	mac	C/TP	207	222	יואטע	216 AAG
	AAA	GAA	AGA	AGT	CIT	ACT.	111	GAA	GAA	GIA	AAA							
	Lys	Glu	Arg	Ser	Leu	Thr	Phe	Glu	Glu	Val	Lys	Asp	Trp	Ala	Pro	Lys	Ile	Lys
			225			234			243			252			261			270
	ATG	AAT	AAA	CCT	GTA	GIC	AAC	AAA	ATG	CCA	CCT	TCT	GCA	GCC	AAC	CTG	CCA	CTG
	 Met	Asn	Lys	Pro	Val	Val	Asn	Lys	Met	Pro	Pro	Ser	Ala	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu
			279			288			297			306			315			324
	AGA	TTT	GGG	AGG	AAC	ATG	GAA	GAA			AGC	ACT	AGG	GCC	ATG	GCC	CAC	CIG
				 Arg														
	2			_								360			369			378
	CCal	Calic	333	رملات	GGA	342 AAA	AAT	AGA	351 GAG	GAC	AGC		TCC	AGA			CCA	AAT
					·													
	Pro	Leu	Arg	Lea	Gly	Lys	Asn	Arg	Glu	qaA	Ser	Leu	Ser	Arg	Trp	Val	Pro	Asn
			387			396			405			414		3.000	423		a CC	432
	CIG	ccc	CAG	AGC	TTT	GGA	AGA	ACA	ACA	ACA	GCC	AAA	AGC	ATT	ACC			CIG
	Leu	Pro	Gln	Arg	Phe	Gly	Arg	Thr	The	Thr	Ala	. Lys	Ser	Ile	Thr	Lys	Thr	Leu
			441			450			459			468			477			486
	AGT	AAT	TIG	CTC	CAG	CAG	TCC	ATG	CAI	' TCA	CCA	TCT	ACC	TAA	GGG	CTA	CIC	TAC
	Ser	Asn	Leu	Leu	Gln	Gln	ser	Met	His	Ser	Pro	Ser	Thu	Asn	Gly	Leu	Leu	Tyr
			405			504			513	ı		522			531	_		540
	тсс	ATG	495 GCC	TGC	CAG	CCC	CAA	GAA	ATC	CAG	raa :	CCI	GGI	CAA			CTA	AGG
	Ser	Met	. Ala	Cys	Gin	Pro	GIN	GIU			, ASI			311				a Arg
			549			558	2	<b>~</b> 3.0	567	7		576		ממים .	585 GAZ		. TAP	3'
				TTC														
	Arg	Arg	i CJ?	Phe	Glr	Lye	Ile	Asp	aaA o	Ala	ı Glı	ı Lev	Lys	Glr	Glu	Lys	***	•

[	図	5	]

	101																	
5'	ATG	gaa	9 ATT	ATT	TCA	18 TCA	AAG	CGA	27 TTC	ATT	TTA	36 TTG	ACT	TTA	45 GCA	ACT	TCA	54 AGC
				 Ile														
			<b>6</b> 3			72			81			90	3.000	3.000	99	co m	ulatati	108
				TCA														
	Phe	Leu	Thr	Ser	Asn	Thr	Leu	Cys	Ser	qaA	Glu	Leu	Met	Met	Pro	His	Phe	
	AGC	ааа	117 GAA	GGT	TAT	126 GGA	AAA	TAT	135 TAC	CAG	CIG	144 AGA	GGA	ATC	153 CCA	AAA	GGG	162 GTA
				Gly														
	Jea	۳,۰	171	07		180		-4-	189			198			207			216
	AAG	GAA	AGA	AGT	GTC	ACT	TTT	CAA	GAA	CTC	AAA	GAT	TGG	GGG	GCA	AAG	AAA	GAT
	Lys	Ģlu	Arg	Ser	Val	Thr	Phe	Gln	Glu	Leu	Lys	Asp	Trp	Gly	Ala	Lys	Lys	qaA
			225		~~~	234	com	ccc	243	222	CARC.	252	CNC	מייצה	261	GCC.	ልልሮ	270 ייייי
				AGT								·						
	Ile	Lys	Met	Ser	Pro	Ala	Pro	Ala	Asn	Lys	Val	Pro	His	Ser		Ala	ASTI	
	αr	CTG	279 AGG	TTT	GGG	288 AGG	AAC	ATA	297 GAA	GAC	AGA	306 AGA	AGC	ccc	315 AGG	GCA	CGG	324 GCC
				Phe														
	FIO	DÇU	333	1110	رسي	342			351			360			369			378
	AAC	ATG	GAG	GCA	GGG	ACC	ATG	AGC	CAT	TIT	$\infty$		CIG	ccc	CAA	AGG	TTT	GGG
	Asn	Met	Glu	Ala	Gly	Thr	Met	Ser	His	Phe	Pro	Ser	Leu	Pro	Gln	Arg	Phe	Gly
			387			396			405		ome.	414	~~	OEIX:	423	CAG	מממ	432
																		TCC
	Arg	Thr	Thr	Ala	Arg	Arg	Ile	Thr	Lys	Thr	Leu	Ala	Gly	Leu			Lys	Ser
	CTG	CAC	441 TCC	CTG	GCC	450 TCC	AGT	GAA	459 TCG		1AT	468 GCC	ATG	ACC	477 CGC		CAT	486 CAA
																		Gln
			105			504			513	,		522			531			540
	GAA	TTA	CAG	AGT	CCI	GGT	CAA	GAG	CAA	ccr	AGG	AAA	CGG	GIG	TTC	ACG	GAA	ACA
	Glu	Ile	Gln	Ser	Pro	Gly	Gln	Glu	Gla	Pro	Arg	Lys	Arg	Val	Phe	Thr	Glu	Thx
			549	1		558			567	•	~~~	576			585		. Cutt	594
		~																CAA
	Asp	Asp	Ala	Glu	Arg	Lys	Gln	Glu	Lys	: Ile	GJA	r Asm	Leu	Gln	Pro	Val	. Leu	Gln
	CCC.	: C:	E03	AAG	Calc	612 TGA												
	Gly	Ala	Met	Lys	Leu	L ***												

【図6】				
50 50 50	100 100 100	150 150 150	700	250 250 250
50 EPRG- EPRGD SIRGI	100 RFGRN RFGRN	150 CRMLS TRYTLS TRYTLS	200 IDDAELKQE IDDAELKQE TDDAERKQE	250
S YDKYSEPRG YDKYSEPRG YGKYVQIRG	100 ANLPLREGRN ANLPLREGRN ANLPLREGRN	PAKSV PAKSI	KIDDA KIDDA FIDDA	• • •
A XX	90 KWPESA KWPESA		0 X G H	240
HILL WHEN THE HEAD TO SHE HEAD	VINEONE PANEON	140 NLPORFGRIT NLPORFGRIT SLPORFGRIT	SON SERVICE SE	
	8 <b>原</b> <b>原</b> <b>原</b> <b>原</b>	130 RRVP NI RWVP NI ISHFIE SE	180 ONTO ONTO ONTO ONTO	230
ISNIFOA ISNIFOA ISNIFOA	K-K HRA KR	STANTA 1	HOELON HOELON	
	G P K		S. S. S.	
20 LITLATSSLL LMLATSSLL LITLATSSFL	70 FEELKOW FEELKOW	17 0 0	170 EVSIVE LYSIVE LYPAT	220
LITTATISSI LIMIATISSI LITTATISSI	SINFEET STITEMENT STATEMENT SAFERED TO STATEMENT SAFERED SAFERED TO STATEMENT SAFERED TO STATEMENT SAFERED SAFERED SAFERED SAFERED SAFERED SAFERED SAFERED S	ANT.PL AFFL PL ANM.	STAGE	GAMKL,
10 SSKIFI SEKRFI SSKRFI	00 H H H	110 RSFRAM RSFRAM RSFRAM	160 SMHSP SMHSP STHSL	
EIISS EIISE EIISS	A TANKS	OEERS EEERS EDRRS		210 K* KY*
 	77 77 1 17 1	1000 1100 2110	7755 7755	201 201 201 8
		ਜਜਜ	ਜਜਜ	000
ች ች ች . aa . aa	(	변, aa 담, aa 담, aa	표. 3a 전. 3a 전. 3a	අ අ අ අ අ ක
hlpirf.aa blpirf.aa ripirf.aa	hl.Pl.RF. aa bl.Pl.RF. aa rl.Pl.RF. aa	hl.Pl.RF . aa bl.Pl.RF . aa rl.Pl.RF . aa	hl.Pl.RF. aa bl.Pl.RF. aa rl.Pl.RF. aa	hlpirf.aa blpirf.aa rlpirf.aa
	, , , , , , ,			

#### 【書類名】要約書

#### 【要約】

【課題】新規タンパク質などの提供。

【解決手段】新規タンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩、該タンパク質の製造法、該タンパク質等を含有してなる医薬、該タンパク質に対する抗体、該タンパク質の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法/スクリーニング用キット、該スクリーニングによって得られる化合物、該化合物を含有してなる医薬など。

【効果】本発明のタンパク質またはその部分ペプチドなどは、例えば、神経疾患治療剤などとして使用することができる。また、本発明の抗体は、被検液中の本発明のタンパク質の定量などに使用することができる。さらに、本発明のタンパク質は、本発明のタンパク質の活性を促進または阻害する化合物をスクリーニングするための試薬として有用である。

【選択図】なし

### 出願人履歴情報

識別番号

[000002934]

1. 変更年月日 1992年 1月22日

[変更理由] 住所変更

住 所 大阪府大阪市中央区道修町四丁目1番1号

氏 名 武田薬品工業株式会社